

Sample Size 2N			EUR		15736	AFA		2298	API		2250	HIS		2150
C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank			
0102	0801g	0102	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	747			
0102	0801g	0301	0201g	0.00006	1043	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA			
0102	0801g	1304	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	212			
0102	1501g	0101	0501	0.00049	270	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA			
0102	1501g	0401	0301g	0.00009	750	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA			
0102	1501g	0401	0302	0.00000	NA	0.00044	510	0.00000	NA	0.00047	499			
0102	1501g	0404	0302	0.00006	1183	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	656			
0102	1501g	0801	0402	0.00004	1410	0.00044	773	0.00000	NA	0.00000	NA			
0102	1501g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00465	28			
0102	1501g	0901	0303	0.00076	200	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA			
0102	1501g	1101	0301g	0.00014	564	0.00000	NA	0.00178	104	0.00047	773			
0102	1501g	1104	0301g	0.00006	1356	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA			
0102	1501g	1201g	0501	0.00000	NA	0.00044	833	0.00000	NA	0.00000	NA			
0102	1501g	1301	0603	0.00009	760	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA			
0102	1501g	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	642	0.00000	NA			
0102	1501g	1401g	0503	0.00006	1119	0.00000	NA	0.00044	388	0.00000	NA			
0102	1501g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	414	0.00000	NA			
0102	1501g	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	402			
0102	1501g	1501	0602	0.00024	448	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA			
0102	1501g	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	306			
0102	1507	1201g	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	717	0.00000	NA			
0102	1508	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	678	0.00000	NA			
0102	1508	0801	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	432	0.00000	NA			
0102	1515	0404	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	684			
0102	1515	0410	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	765			
0102	1515	0802	0402	0.00006	1108	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00512	25			
0102	1517	1301	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	463			
0102	1518	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	591	0.00000	NA			
0102	1530	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	318			
0102	1530	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	770			
0102	1530	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	271			
0102	1535	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	856	0.00000	NA			
0102	1535	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	883	0.00000	NA			
0102	1539	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	705			
0102	1801g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	447			
0102	1801g	1201g	0301g	0.00006	1311	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA			
0102	2704	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	598	0.00000	NA			
0102	2705g	0101	0501	0.00775	18	0.00131	168	0.00133	145	0.00457	30			
0102	2705g	0103	0301g	0.00126	135	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA			
0102	2705g	0103	0501	0.00031	374	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA			

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0102	2705g	0301	0201g	0.00035	349	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	0401	0301g	0.00008	786	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	0401	0302	0.00013	583	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	663
0102	2705g	0403	0302	0.00010	741	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	0404	0302	0.00014	571	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	774
0102	2705g	0407	0301g	0.00011	716	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	408
0102	2705g	0408	0301g	0.00006	1355	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	0701	0201g	0.00038	330	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	0701	0303	0.00002	1438	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	0801	0402	0.00104	162	0.00044	442	0.00089	279	0.00000	NA
0102	2705g	0803	0301g	0.00009	757	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	0805	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	534	0.00000	NA
0102	2705g	0901	0303	0.00012	698	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	1001	0501	0.00002	1439	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	1101	0301g	0.00034	350	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	137
0102	2705g	1103	0301g	0.00019	510	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	1201g	0301g	0.00006	1359	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	1301	0603	0.00041	315	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00054	344
0102	2705g	1302	0604	0.00007	827	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	1303	0301g	0.00006	1027	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	1401g	0502	0.00006	1144	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	1401g	0503	0.00006	1357	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	1501	0602	0.00115	149	0.00044	802	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2705g	1601	0502	0.00006	863	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2709	1101	0301g	0.00006	1207	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	2714	0101	0501	0.00019	508	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	3501g	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	561	0.00000	NA
0102	3501g	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	710	0.00000	NA
0102	3503	1309	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	556
0102	3505	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	885	0.00000	NA
0102	3505	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	877	0.00000	NA
0102	3512	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	649
0102	3514	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	665
0102	3543g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00233	85
0102	3543g	0407	0302	0.00000	NA	0.00044	766	0.00000	NA	0.00698	16
0102	3543g	0410	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	506
0102	3543g	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	718
0102	3701	1506	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	602	0.00000	NA
0102	3801	1104	0301g	0.00006	1221	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	3801	1301	0603	0.00006	1162	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	3901g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	625

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0102	3906	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	786
0102	3912	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	472
0102	4001g	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	488	0.00000	NA
0102	4001g	0801	0402	0.00006	1284	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	4001g	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	724	0.00000	NA
0102	4002g	1104	0301g	0.00006	1247	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	4002g	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	441
0102	4006	0101	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	684	0.00000	NA
0102	4006	1301	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	627	0.00000	NA
0102	4402g	0101	0501	0.00006	1241	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	4402g	0103	0501	0.00006	926	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	4402g	1301	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	251
0102	4402g	1601	0502	0.00006	1238	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	4403	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	592
0102	4601	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00039	826	0.00000	NA
0102	4601	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00046	358	0.00000	NA
0102	4601	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	153	0.00000	NA
0102	4601	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00203	89	0.00000	NA
0102	4601	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00096	189	0.00000	NA
0102	4601	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.01179	10	0.00000	NA
0102	4601	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.02910	1	0.00000	NA
0102	4601	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	125	0.00000	NA
0102	4601	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00095	190	0.00000	NA
0102	4601	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00287	58	0.00000	NA
0102	4601	1202	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	585	0.00000	NA
0102	4601	1312	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00053	328	0.00000	NA
0102	4601	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00227	71	0.00000	NA
0102	4601	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	745	0.00000	NA
0102	4601	1403	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00147	120	0.00000	NA
0102	4601	1502	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	467	0.00000	NA
0102	4601	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	241	0.00000	NA
0102	4801g	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	697
0102	4801g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	791
0102	5101g	0101	0501	0.00174	99	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5101g	0301	0201g	0.00031	384	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5101g	0401	0301g	0.00014	577	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5101g	0401	0302	0.00016	547	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5101g	0404	0302	0.00013	601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5101g	0407	0301g	0.00006	1066	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5101g	0701	0201g	0.00008	772	0.00000	NA	0.00044	530	0.00047	585
0102	5101g	0701	0303	0.00006	1330	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0102	5101g	0801	0402	0.00030	386	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	843
0102	5101g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	385	0.00000	NA
0102	5101g	1101	0301g	0.00169	104	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5101g	1103	0301g	0.00006	1010	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5101g	1201g	0301g	0.00007	797	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5101g	1301	0303	0.00006	1128	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5101g	1301	0603	0.00040	321	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5101g	1501	0602	0.00000	NA	0.00044	786	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5108	0403	0305	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	939
0102	5108	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	885
0102	5109	1001	0501	0.00000	NA	0.00044	453	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5109	1101	0301g	0.00044	292	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5201g	0804	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	475
0102	5401	0405	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	554	0.00000	NA
0102	5401	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.01323	7	0.00000	NA
0102	5401	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	364	0.00000	NA
0102	5401	0803	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	373	0.00000	NA
0102	5401	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00382	39	0.00000	NA
0102	5401	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00094	191	0.00000	NA
0102	5401	1201g	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	758	0.00000	NA
0102	5401	1201g	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	751	0.00000	NA
0102	5401	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00158	116	0.00000	NA
0102	5401	1202	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	538	0.00000	NA
0102	5401	1312	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	409	0.00000	NA
0102	5401	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00206	86	0.00000	NA
0102	5401	1501	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	720	0.00000	NA
0102	5401	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00192	94	0.00000	NA
0102	5401	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	702	0.00000	NA
0102	5501	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	413	0.00000	NA
0102	5501	0701	0303	0.00003	1434	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5501	0802	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	796	0.00000	NA
0102	5501	0901	0303	0.00022	461	0.00044	587	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5501	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	208	0.00000	NA
0102	5501	1101	0301g	0.00057	236	0.00000	NA	0.00044	392	0.00326	47
0102	5501	1104	0301g	0.00002	1441	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5501	1111	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	535	0.00000	NA
0102	5501	1301	0603	0.00033	353	0.00000	NA	0.00089	234	0.00000	NA
0102	5501	1340	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	464
0102	5501	1401g	0503	0.00023	453	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5501	1501	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	417	0.00000	NA
0102	5501	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	708	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0102	5501	1601	0502	0.00019	501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5502	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00259	67	0.00000	NA
0102	5502	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00141	123	0.00000	NA
0102	5502	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	584	0.00000	NA
0102	5502	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00046	361	0.00000	NA
0102	5502	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	215	0.00000	NA
0102	5502	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	731	0.00000	NA
0102	5502	1407	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	765	0.00000	NA
0102	5502	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00177	110	0.00000	NA
0102	5502	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	401	0.00000	NA
0102	5601	0101	0501	0.00221	69	0.00044	488	0.00000	NA	0.00372	39
0102	5601	0301	0201g	0.00007	794	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5601	0401	0301g	0.00007	793	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5601	0401	0302	0.00053	253	0.00044	602	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5601	0403	0305	0.00019	513	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	931
0102	5601	0404	0402	0.00006	1061	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5601	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	286	0.00000	NA
0102	5601	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	542
0102	5601	0408	0301g	0.00008	783	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5601	0701	0201g	0.00012	692	0.00087	290	0.00044	454	0.00000	NA
0102	5601	0801	0402	0.00019	511	0.00087	252	0.00044	410	0.00000	NA
0102	5601	0803	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	557	0.00000	NA
0102	5601	0901	0201g	0.00000	NA	0.00044	683	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5601	1104	0301g	0.00007	814	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5601	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	287	0.00000	NA
0102	5601	1201g	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	689	0.00000	NA
0102	5601	1301	0603	0.00035	346	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5601	1302	0604	0.00020	476	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5601	1302	0609	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	479	0.00000	NA
0102	5601	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	458	0.00000	NA
0102	5601	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	422	0.00000	NA
0102	5601	1501	0602	0.00041	316	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0102	5601	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	707	0.00000	NA
0102	5601	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	473	0.00000	NA
0102	5601	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	904
0102	5602	0408	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	545	0.00000	NA
0102	5603	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	553	0.00000	NA
0102	5603	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	529	0.00000	NA
0102	5604	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	146	0.00000	NA
0102	5703	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	669
0102	5801g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	811	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0102	5901	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00667	21	0.00000	NA
0102	5901	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	225	0.00000	NA
0103	1302	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	766	0.00000	NA
0103	4601	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00007	914	0.00000	NA
0103	4601	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00126	178	0.00000	NA
0103	4601	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	355	0.00000	NA
0103	4601	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	622	0.00000	NA
0105	4601	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	566	0.00000	NA
0107	2705g	0404	0302	0.00006	982	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0110	4002g	0103	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	698
0118	5401	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	690	0.00000	NA
0202	0702g	0101	0501	0.00010	738	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	0702g	1501	0602	0.00016	553	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	0715	1301	0603	0.00006	1313	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1401	0701	0201g	0.00000	NA	0.00044	449	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1401	1201g	0501	0.00000	NA	0.00044	412	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1401	1302	0609	0.00000	NA	0.00044	432	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1402	0102	0501	0.00051	263	0.00044	501	0.00000	NA	0.00093	320
0202	1402	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	777
0202	1501g	0801	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	477
0202	1501g	1101	0602	0.00002	1454	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1501g	1301	0503	0.00002	1456	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	0101	0501	0.00000	NA	0.00041	838	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	0102	0501	0.00013	588	0.00319	60	0.00000	NA	0.00047	368
0202	1503g	0301	0201g	0.00025	436	0.00383	46	0.00000	NA	0.00093	257
0202	1503g	0301	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	692
0202	1503g	0302	0203	0.00000	NA	0.00044	810	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	0302	0402	0.00000	NA	0.00133	144	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	0402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	639
0202	1503g	0404	0302	0.00000	NA	0.00131	158	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	0405	0302	0.00000	NA	0.00207	94	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	0406	0402	0.00006	1126	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	0701	0201g	0.00000	NA	0.00633	21	0.00000	NA	0.00279	60
0202	1503g	0804	0301g	0.00000	NA	0.00149	131	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	0804	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	749
0202	1503g	0804	0502	0.00000	NA	0.00044	563	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00258	75	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	1101	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	459
0202	1503g	1101	0301g	0.00013	659	0.00959	11	0.00000	NA	0.00093	262
0202	1503g	1101	0502	0.00000	NA	0.00044	478	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	1101	0602	0.00002	1452	0.00145	134	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0202	1503g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00056	352	0.00000	NA	0.00093	294
0202	1503g	1110	0602	0.00000	NA	0.00174	114	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	1201g	0501	0.00000	NA	0.00180	104	0.00000	NA	0.00047	830
0202	1503g	1301	0303	0.00000	NA	0.00047	383	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	1301	0501	0.00000	NA	0.00132	148	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	1301	0503	0.00002	1459	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	1301	0609	0.00000	NA	0.00044	627	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	1302	0301g	0.00000	NA	0.00044	435	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	1302	0604	0.00000	NA	0.00044	805	0.00000	NA	0.00185	116
0202	1503g	1302	0605	0.00000	NA	0.00044	823	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	1302	0609	0.00000	NA	0.00643	20	0.00000	NA	0.00047	446
0202	1503g	1304	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	226
0202	1503g	1401g	0501	0.00000	NA	0.00044	645	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	468
0202	1503g	1503	0501	0.00000	NA	0.00044	746	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	1503	0602	0.00000	NA	0.00529	29	0.00000	NA	0.00047	492
0202	1503g	1503	0609	0.00000	NA	0.00044	781	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1503g	1602	0502	0.00000	NA	0.00059	347	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1510	1301	0602	0.00000	NA	0.00044	771	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1518	1601	0502	0.00006	1361	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1547	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	806	0.00000	NA	0.00047	728
0202	1561	1503	0602	0.00000	NA	0.00044	694	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1801g	0102	0501	0.00000	NA	0.00044	659	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1801g	0301	0201g	0.00006	1098	0.00044	461	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1801g	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	511	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1801g	0401	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	702
0202	1801g	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	672
0202	1801g	0701	0201g	0.00000	NA	0.00652	19	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1801g	0701	0302	0.00000	NA	0.00044	533	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1801g	0801	0402	0.00006	921	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1801g	1101	0502	0.00000	NA	0.00044	704	0.00000	NA	0.00047	627
0202	1801g	1104	0301g	0.00015	555	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1801g	1301	0603	0.00004	1419	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	1801g	1503	0602	0.00000	NA	0.00088	219	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2702	0101	0501	0.00006	1153	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	719
0202	2702	0402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	599
0202	2702	0701	0201g	0.00013	663	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2702	0701	0301g	0.00006	918	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2702	0701	0303	0.00013	598	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2702	0901	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	390
0202	2702	1101	0301g	0.00063	220	0.00044	665	0.00000	NA	0.00047	610

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0202	2702	1102	0301g	0.00006	955	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	819
0202	2702	1201g	0301g	0.00006	1186	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2702	1301	0603	0.00034	351	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2702	1601	0502	0.00101	167	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2702	1602	0502	0.00006	1065	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2703	0701	0201g	0.00000	NA	0.00043	835	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2703	0801	0402	0.00006	1124	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2703	1102	0301g	0.00000	NA	0.00044	535	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2703	1201g	0501	0.00000	NA	0.00044	686	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2703	1302	0609	0.00000	NA	0.00001	926	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2703	1303	0301g	0.00000	NA	0.00044	633	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	0101	0501	0.00263	57	0.00087	258	0.00044	486	0.00047	421
0202	2705g	0103	0501	0.00014	570	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	0301	0201g	0.00048	273	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	319
0202	2705g	0401	0301g	0.00121	140	0.00000	NA	0.00044	801	0.00047	457
0202	2705g	0401	0302	0.00170	103	0.00044	421	0.00044	799	0.00047	668
0202	2705g	0403	0302	0.00013	664	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	0404	0302	0.00195	89	0.00000	NA	0.00089	266	0.00140	156
0202	2705g	0405	0201g	0.00000	NA	0.00044	749	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	0407	0301g	0.00008	776	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	0408	0301g	0.00008	765	0.00000	NA	0.00044	769	0.00000	NA
0202	2705g	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	393
0202	2705g	0701	0201g	0.00012	709	0.00044	619	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	0701	0303	0.00031	376	0.00065	336	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	0801	0402	0.00078	195	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	699	0.00000	NA
0202	2705g	0901	0303	0.00088	179	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	1101	0301g	0.00153	120	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	1102	0301g	0.00000	1482	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	595
0202	2705g	1201g	0301g	0.00051	266	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	1301	0603	0.00103	164	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	1302	0604	0.00000	NA	0.00065	333	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	1401g	0503	0.00087	183	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	1501	0602	0.00163	111	0.00044	578	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	2705g	1601	0502	0.00012	712	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	241
0202	3501g	0402	0302	0.00006	1325	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	3501g	0701	0201g	0.00000	1481	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	3701	0302	0402	0.00000	NA	0.00011	866	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	3701	1503	0602	0.00000	NA	0.00011	865	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	3801	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	840
0202	3901g	0101	0501	0.00006	994	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0202	3901g	0701	0201g	0.00006	1193	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	3906	1601	0502	0.00006	1306	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4001g	1001	0501	0.00006	885	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4001g	1101	0301g	0.00006	1127	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4001g	1503	0602	0.00000	NA	0.00044	616	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	0101	0501	0.00023	452	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	0301	0201g	0.00007	809	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	0401	0301g	0.00009	752	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	0402	0302	0.00008	778	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	731
0202	4002g	0403	0304	0.00006	947	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	0407	0301g	0.00007	862	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	0408	0301g	0.00014	579	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	0701	0201g	0.00027	399	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	0701	0303	0.00020	485	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	0801	0402	0.00033	357	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	1001	0501	0.00003	1425	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	1101	0301g	0.00267	56	0.00044	459	0.00000	NA	0.00093	206
0202	4002g	1104	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	292
0202	4002g	1109	0301g	0.00006	892	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	1201g	0301g	0.00016	545	0.00044	739	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	1301	0603	0.00195	90	0.00044	623	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	1302	0604	0.00006	859	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	674
0202	4002g	1401g	0503	0.00012	701	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	1501	0602	0.00040	319	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	218
0202	4002g	1601	0502	0.00019	490	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4002g	1602	0502	0.00076	201	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4402g	0701	0201g	0.00006	853	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4402g	1101	0301g	0.00006	1337	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4402g	1104	0301g	0.00006	1344	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4402g	1301	0603	0.00026	414	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	707
0202	4402g	1601	0502	0.00007	819	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4403	0102	0501	0.00029	390	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00239	70
0202	4403	0701	0201g	0.00006	923	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00085	325
0202	4403	1101	0301g	0.00013	617	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	596
0202	4403	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	438	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4403	1201g	0301g	0.00006	1179	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4403	1501	0602	0.00002	1436	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00049	359
0202	4405	0101	0501	0.00046	281	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	159
0202	4405	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	582
0202	4405	0401	0302	0.00006	1201	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4405	0405	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	693

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0202	4405	0701	0303	0.00006	909	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4405	0901	0303	0.00004	1414	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4405	1101	0301g	0.00006	860	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	926
0202	4405	1103	0301g	0.00006	893	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4405	1104	0301g	0.00037	339	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4405	1301	0603	0.00014	568	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4405	1302	0609	0.00006	881	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4405	1401g	0503	0.00006	873	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4405	1501	0502	0.00006	1192	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4405	1601	0502	0.00095	172	0.00044	826	0.00000	NA	0.00012	880
0202	4501g	0302	0402	0.00000	NA	0.00011	899	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4501g	1503	0602	0.00000	NA	0.00011	889	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	4901	0101	0501	0.00006	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5001	0701	0201g	0.00013	612	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5002	0406	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	467
0202	5101g	0101	0501	0.00032	361	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5101g	0101	0504	0.00006	1276	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5101g	0301	0201g	0.00010	746	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	624
0202	5101g	0401	0301g	0.00016	548	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5101g	0401	0302	0.00012	699	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	497
0202	5101g	0403	0302	0.00013	635	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5101g	0403	0304	0.00013	668	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5101g	0407	0301g	0.00000	NA	0.00044	762	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5101g	0701	0201g	0.00014	574	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	298
0202	5101g	0801	0402	0.00010	743	0.00044	549	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5101g	0901	0303	0.00006	1371	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5101g	1101	0301g	0.00218	72	0.00131	176	0.00000	NA	0.00186	107
0202	5101g	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	632
0202	5101g	1301	0603	0.00053	250	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5101g	1401g	0503	0.00001	1462	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	575
0202	5101g	1501	0602	0.00046	285	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5101g	1601	0502	0.00015	563	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	579
0202	5301	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	293
0202	5301	0901	0201g	0.00000	NA	0.00044	479	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5601	0408	0301g	0.00001	1463	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5701	1401g	0602	0.00000	NA	0.00044	493	0.00000	NA	0.00000	NA
0202	5703	1503	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	845
0202	5801g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	951
0202	5801g	1601	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	911
0202	7801	1302	0609	0.00000	NA	0.00044	491	0.00000	NA	0.00000	NA
0214	3701	0302	0402	0.00000	NA	0.00011	903	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0214	3701	1503	0602	0.00000	NA	0.00011	863	0.00000	NA	0.00000	NA
0214	4501g	0302	0402	0.00000	NA	0.00011	878	0.00000	NA	0.00000	NA
0214	4501g	1503	0602	0.00000	NA	0.00011	914	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	1301	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	583	0.00000	NA
0302	1510	0301	0201g	0.00000	NA	0.00044	719	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	1510	0701	0201g	0.00000	NA	0.00044	418	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	1510	0804	0301g	0.00000	NA	0.00044	505	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	1510	1301	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	466
0302	1510	1302	0609	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	525
0302	1801g	0804	0301g	0.00000	NA	0.00044	716	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	3501g	0101	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	611
0302	3905	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	955
0302	3905	1302	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	942
0302	4001g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	719	0.00000	NA
0302	4405	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	875
0302	4405	1601	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	952
0302	5801g	0301	0201g	0.00032	367	0.00088	222	0.02699	2	0.00000	NA
0302	5801g	0302	0402	0.00000	NA	0.00111	197	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	5801g	0402	0302	0.00006	1045	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	5801g	0405	0302	0.00000	NA	0.00002	923	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	5801g	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	634	0.00000	NA
0302	5801g	0408	0301g	0.00006	1018	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	5801g	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	925
0302	5801g	0701	0201g	0.00000	NA	0.00112	195	0.00044	604	0.00000	NA
0302	5801g	0701	0302	0.00000	NA	0.00044	692	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	5801g	0701	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	367	0.00000	NA
0302	5801g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00192	95	0.00000	NA
0302	5801g	1001	0501	0.00000	NA	0.00044	458	0.00046	353	0.00093	295
0302	5801g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00222	83	0.00012	928
0302	5801g	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00039	827	0.00000	NA
0302	5801g	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	197	0.00000	NA
0302	5801g	1301	0603	0.00000	NA	0.00087	271	0.00178	103	0.00047	528
0302	5801g	1301	0609	0.00006	1196	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	5801g	1302	0604	0.00000	NA	0.00063	340	0.00089	203	0.00012	912
0302	5801g	1302	0605	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	791	0.00000	NA
0302	5801g	1302	0609	0.00083	187	0.00128	181	0.01600	6	0.00047	760
0302	5801g	1303	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	690
0302	5801g	1304	0301g	0.00000	NA	0.00087	269	0.00000	NA	0.00186	102
0302	5801g	1401g	0503	0.00006	1105	0.00044	460	0.00044	810	0.00000	NA
0302	5801g	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00003	915	0.00000	NA
0302	5801g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	246	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0302	5801g	1503	0201g	0.00000	NA	0.00041	840	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	5801g	1503	0602	0.00000	NA	0.00063	338	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	5801g	1506	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	513	0.00000	NA
0302	5801g	1601	0502	0.00006	1213	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	871
0302	8201	0405	0302	0.00000	NA	0.00029	854	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	8201	1101	0301g	0.00000	NA	0.00044	669	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	8201	1101	0602	0.00000	NA	0.00101	207	0.00000	NA	0.00000	NA
0302	8202	1201g	0502	0.00000	NA	0.00044	652	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	0702g	0401	0301g	0.00006	916	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1501g	0101	0501	0.00276	54	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00124	173
0303g	1501g	0103	0501	0.00013	589	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	505
0303g	1501g	0301	0201g	0.00062	221	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00144	130
0303g	1501g	0401	0301g	0.00118	144	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00141	132
0303g	1501g	0401	0302	0.00451	32	0.00174	109	0.00044	492	0.00000	NA
0303g	1501g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00085	304	0.00000	NA
0303g	1501g	0404	0302	0.00198	85	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	235
0303g	1501g	0405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	426	0.00000	NA
0303g	1501g	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	149	0.00000	NA
0303g	1501g	0407	0301g	0.00012	700	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1501g	0408	0301g	0.00016	544	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1501g	0701	0201g	0.00055	242	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1501g	0701	0303	0.00057	238	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	801
0303g	1501g	0801	0402	0.00044	298	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1501g	0804	0402	0.00000	NA	0.00044	448	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1501g	0901	0303	0.00044	295	0.00000	NA	0.00133	170	0.00000	NA
0303g	1501g	1101	0301g	0.00296	50	0.00000	NA	0.00087	300	0.00093	310
0303g	1501g	1101	0602	0.00002	1451	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1501g	1102	0301g	0.00013	671	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1501g	1103	0301g	0.00190	93	0.00044	462	0.00000	NA	0.00233	86
0303g	1501g	1104	0301g	0.00010	739	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1501g	1201g	0301g	0.00061	224	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00072	330
0303g	1501g	1301	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	538
0303g	1501g	1301	0503	0.00002	1445	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1501g	1301	0603	0.01069	13	0.00087	241	0.00000	NA	0.00247	67
0303g	1501g	1301	0604	0.00006	988	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1501g	1302	0604	0.00030	387	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1501g	1303	0301g	0.00006	1370	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	572
0303g	1501g	1350	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	452	0.00000	NA
0303g	1501g	1401g	0301g	0.00006	993	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	411
0303g	1501g	1401g	0503	0.00130	131	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1501g	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	229	0.00047	489

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0303g	1501g	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00171	113	0.00000	NA
0303g	1501g	1407	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	732	0.00000	NA
0303g	1501g	1419	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	528	0.00000	NA
0303g	1501g	1501	0602	0.00302	48	0.00044	520	0.00362	42	0.00000	NA
0303g	1501g	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	524	0.00000	NA
0303g	1501g	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	340	0.00000	NA
0303g	1501g	1503	0602	0.00000	NA	0.00044	790	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1501g	1601	0502	0.00010	744	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	394
0303g	1501g	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00015	865
0303g	1503g	1101	0602	0.00002	1447	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1503g	1301	0503	0.00002	1453	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1504	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	546
0303g	1505	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	377	0.00000	NA
0303g	1505	1111	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	773	0.00000	NA
0303g	1505	1502	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	259	0.00000	NA
0303g	1507	0404	0302	0.00070	207	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1507	0404	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	588	0.00000	NA
0303g	1507	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	741	0.00000	NA
0303g	1507	1501	0602	0.00006	1122	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1511	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	366	0.00000	NA
0303g	1511	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	412	0.00000	NA
0303g	1511	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	832	0.00000	NA
0303g	1511	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	462	0.00000	NA
0303g	1511	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00286	59	0.00000	NA
0303g	1511	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	206	0.00000	NA
0303g	1511	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	727	0.00000	NA
0303g	1512g	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	211	0.00000	NA
0303g	1512g	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	418	0.00000	NA
0303g	1514	1101	0301g	0.00006	1056	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1524	1601	0502	0.00006	1187	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1539	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	384
0303g	1540	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	581
0303g	1801g	0403	0302	0.00006	1077	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	1801g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	763
0303g	1801g	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	562	0.00000	NA
0303g	1801g	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	638	0.00000	NA
0303g	2705g	0101	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	727
0303g	2705g	0401	0302	0.00045	289	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	2705g	0407	0301g	0.00013	662	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	2705g	0701	0303	0.00006	1323	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	2705g	0801	0402	0.00013	607	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0303g	2705g	1101	0301g	0.00006	944	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	2705g	1501	0602	0.00013	604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	2706	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	474	0.00000	NA
0303g	3501g	0101	0501	0.00006	1161	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	3501g	0102	0501	0.00000	NA	0.00044	685	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	3501g	0403	0302	0.00006	1301	0.00000	NA	0.00051	335	0.00000	NA
0303g	3501g	0403	0305	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	699
0303g	3501g	0404	0302	0.00007	824	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	3501g	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	774	0.00000	NA
0303g	3501g	0407	0301g	0.00006	1352	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	3501g	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	537	0.00000	NA
0303g	3501g	0701	0201g	0.00006	1182	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	3501g	0801	0402	0.00038	331	0.00000	NA	0.00044	405	0.00000	NA
0303g	3501g	0802	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00069	315	0.00000	NA
0303g	3501g	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00157	117	0.00000	NA
0303g	3501g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00149	118	0.00000	NA
0303g	3501g	1401g	0503	0.00006	1175	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	3501g	1403	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	252	0.00000	NA
0303g	3501g	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	271	0.00000	NA
0303g	3501g	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00051	334	0.00000	NA
0303g	3501g	1407	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	433	0.00000	NA
0303g	3501g	1501	0602	0.00006	845	0.00000	NA	0.00634	23	0.00000	NA
0303g	3512	0406	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	895
0303g	3512	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	961
0303g	3802	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	573	0.00000	NA
0303g	3901g	0401	0301g	0.00006	1214	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	3901g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	558	0.00000	NA
0303g	3906	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	548
0303g	4001g	0701	0201g	0.00007	798	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	4001g	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	793	0.00000	NA
0303g	4001g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	670	0.00000	NA
0303g	4001g	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	738	0.00000	NA
0303g	4002g	0401	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	672	0.00000	NA
0303g	4002g	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	205	0.00000	NA
0303g	4002g	1302	0604	0.00006	1290	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	4002g	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	532	0.00000	NA
0303g	4002g	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00178	100	0.00000	NA
0303g	4006	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	733	0.00000	NA
0303g	4402g	0401	0301g	0.00006	1014	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	4402g	1103	0301g	0.00027	402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	4402g	1201g	0301g	0.00006	1237	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0303g	4402g	1301	0603	0.00006	1211	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	4403	0405	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	461
0303g	4403	0701	0201g	0.00006	1142	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	4403	0804	0301g	0.00000	NA	0.00044	482	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	4403	1001	0501	0.00000	NA	0.00044	508	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	4801g	1407	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	728	0.00000	NA
0303g	5101g	0301	0201g	0.00007	815	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5101g	0401	0302	0.00032	370	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5101g	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	502
0303g	5101g	0701	0201g	0.00006	1190	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5101g	0801	0402	0.00006	1248	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5101g	0901	0303	0.00019	507	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5101g	1103	0301g	0.00005	1408	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5101g	1201g	0301g	0.00013	628	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5101g	1301	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	397
0303g	5101g	1501	0602	0.00006	1347	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5201g	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	204
0303g	5201g	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	136
0303g	5201g	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	276
0303g	5501	0101	0501	0.00105	161	0.00044	703	0.00000	NA	0.00047	722
0303g	5501	0103	0501	0.00012	714	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	0301	0201g	0.00042	314	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	419
0303g	5501	0401	0301g	0.00033	359	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	0401	0302	0.00044	300	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	0403	0402	0.00006	1164	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	0404	0302	0.00026	413	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	0406	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	899
0303g	5501	0407	0301g	0.00199	84	0.00044	574	0.00000	NA	0.00140	152
0303g	5501	0408	0301g	0.00006	1327	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	877
0303g	5501	0701	0201g	0.00058	230	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	0701	0303	0.00009	755	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	0801	0402	0.00013	683	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	1001	0501	0.00007	840	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	1101	0301g	0.00054	245	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	1102	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	708
0303g	5501	1103	0301g	0.00025	429	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	1104	0301g	0.00005	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	517
0303g	5501	1301	0603	0.00105	160	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	1302	0603	0.00006	1051	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0303g	5501	1302	0604	0.00101	166	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	309
0303g	5501	1401g	0503	0.00441	33	0.00087	262	0.00000	NA	0.00233	84
0303g	5501	1501	0602	0.00162	112	0.00044	610	0.00044	739	0.00000	NA
0303g	5501	1501	0603	0.00022	459	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	1502	0601	0.00004	1415	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5501	1601	0502	0.00036	341	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	5502	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	734	0.00000	NA
0303g	5502	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00051	338	0.00000	NA
0303g	5502	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00172	112	0.00000	NA
0303g	5502	1201g	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	718	0.00000	NA
0303g	5512	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	688	0.00000	NA
0303g	5701	0701	0303	0.00006	1089	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0303g	8101g	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	746	0.00000	NA
0304	0702g	1301	0603	0.00000	NA	0.00044	636	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	0702g	1501	0602	0.00006	876	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	0801g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00044	404	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	0801g	0701	0201g	0.00000	NA	0.00175	105	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	0801g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	954
0304	0801g	1304	0301g	0.00006	1025	0.00564	27	0.00000	NA	0.00012	868
0304	0801g	1401g	0503	0.00000	NA	0.00044	608	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1301	0101	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	592	0.00000	NA
0304	1301	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	363	0.00000	NA
0304	1301	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	342	0.00000	NA
0304	1301	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00275	61	0.00000	NA
0304	1301	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00001	917	0.00000	NA
0304	1301	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00955	13	0.00000	NA
0304	1301	1202	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	589	0.00000	NA
0304	1301	1312	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	780	0.00000	NA
0304	1301	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00049	343	0.00000	NA
0304	1301	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	161	0.00000	NA
0304	1301	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	280	0.00000	NA
0304	1301	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00582	24	0.00000	NA
0304	1301	1501	0602	0.00000	NA	0.00044	759	0.00093	194	0.00000	NA
0304	1301	1501	0610	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	201	0.00000	NA
0304	1301	1502	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	274	0.00000	NA
0304	1301	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00261	65	0.00047	767
0304	1302	0101	0501	0.00006	1291	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1302	0701	0201g	0.00006	1277	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	0101	0501	0.00183	95	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	0103	0301g	0.00000	1480	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	0301	0201g	0.00059	228	0.00000	NA	0.00044	600	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0304	1501g	0401	0301g	0.00049	269	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	0401	0302	0.01711	8	0.00218	86	0.00000	NA	0.00279	57
0304	1501g	0401	0402	0.00006	1289	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	0402	0302	0.00013	657	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	0404	0302	0.00049	271	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	0405	0302	0.00006	852	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	0701	0201g	0.00036	340	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	0701	0303	0.00003	1424	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	0801	0402	0.00033	356	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	1001	0501	0.00006	1348	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	1101	0301g	0.00031	375	0.00044	726	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	1101	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	496	0.00000	NA
0304	1501g	1201g	0301g	0.00011	715	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	1301	0603	0.00091	176	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	1302	0604	0.00019	515	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	1302	0609	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	839
0304	1501g	1303	0301g	0.00008	790	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1501g	1501	0602	0.00117	146	0.00044	477	0.00044	407	0.00000	NA
0304	1510	0101	0501	0.00000	NA	0.00044	513	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1510	0102	0501	0.00000	NA	0.00134	143	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1510	0301	0201g	0.00000	NA	0.01043	9	0.00000	NA	0.00224	95
0304	1510	0302	0402	0.00000	NA	0.00117	190	0.00000	NA	0.00047	815
0304	1510	0405	0302	0.00000	NA	0.00044	769	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1510	0701	0201g	0.00000	NA	0.00130	178	0.00000	NA	0.00047	532
0304	1510	0804	0301g	0.00006	1059	0.00327	59	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1510	0901	0201g	0.00000	NA	0.00048	378	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1510	1001	0501	0.00000	NA	0.00306	63	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1510	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	560
0304	1510	1101	0611	0.00000	NA	0.00044	542	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1510	1201g	0501	0.00000	NA	0.00087	247	0.00000	NA	0.00047	626
0304	1510	1301	0603	0.00000	NA	0.00044	481	0.00000	NA	0.00009	962
0304	1510	1302	0501	0.00000	NA	0.00063	339	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1510	1302	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	238	0.00000	NA
0304	1510	1304	0301g	0.00000	NA	0.00044	589	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1510	1401g	0503	0.00000	NA	0.00089	217	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1510	1501	0602	0.00000	NA	0.00044	399	0.00044	569	0.00000	NA
0304	1510	1503	0602	0.00000	NA	0.00049	369	0.00000	NA	0.00047	455
0304	1512g	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	737	0.00000	NA
0304	1512g	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	434	0.00000	NA
0304	1516	0901	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	924
0304	1516	1304	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	893

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0304	1518	0101	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	903	0.00000	NA
0304	1518	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	865	0.00000	NA
0304	1537	0301	0201g	0.00000	NA	0.00052	357	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1537	1101	0502	0.00000	NA	0.00011	869	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1537	1401g	0501	0.00000	NA	0.00035	847	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1537	1602	0502	0.00000	NA	0.00011	892	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1801g	0101	0501	0.00006	1109	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1801g	1101	0502	0.00000	NA	0.00011	893	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1801g	1104	0301g	0.00006	1229	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	1801g	1602	0502	0.00000	NA	0.00011	906	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	2706	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	384	0.00000	NA
0304	2706	1202	0301g	0.00000	NA	0.00044	794	0.00089	251	0.00000	NA
0304	2706	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	143	0.00000	NA
0304	3501g	0101	0501	0.00006	1146	0.00044	789	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	3501g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00044	419	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	3501g	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	790	0.00000	NA
0304	3501g	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	261
0304	3501g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00186	114
0304	3501g	0806	0602	0.00000	NA	0.00044	640	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	3501g	1101	0301g	0.00013	602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	3501g	1201g	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	152	0.00000	NA
0304	3501g	1401g	0503	0.00006	865	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	3501g	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	481
0304	3501g	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00048	364
0304	3502	1104	0301g	0.00006	905	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	3503	0401	0302	0.00006	1279	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	3503	1101	0301g	0.00006	1080	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	3510	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	782
0304	3510	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	807
0304	3510	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	715
0304	3902	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	277
0304	3902	0411	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	821
0304	3905	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	444
0304	3906	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	597	0.00000	NA
0304	4001g	0101	0501	0.00348	42	0.00174	107	0.00044	613	0.00093	278
0304	4001g	0102	0501	0.00006	1362	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	0103	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	398
0304	4001g	0103	0501	0.00024	443	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	0301	0201g	0.00146	122	0.00049	368	0.00000	NA	0.00055	342
0304	4001g	0302	0402	0.00000	NA	0.00038	843	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	0401	0301g	0.00235	67	0.00044	816	0.00000	NA	0.00166	123

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0304	4001g	0401	0302	0.00231	68	0.00087	238	0.00044	640	0.00000	NA
0304	4001g	0402	0302	0.00007	800	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	0403	0302	0.00000	NA	0.00044	551	0.00306	57	0.00047	641
0304	4001g	0404	0302	0.01401	10	0.00174	110	0.00089	272	0.00326	46
0304	4001g	0405	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	607
0304	4001g	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00313	51	0.00000	NA
0304	4001g	0405	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	779	0.00000	NA
0304	4001g	0407	0301g	0.00016	543	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	507
0304	4001g	0408	0301g	0.00005	1395	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	0701	0201g	0.00178	97	0.00044	702	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	0701	0303	0.00070	208	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	0801	0402	0.00352	41	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	0803	0301g	0.00012	713	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00316	50	0.00000	NA
0304	4001g	0804	0301g	0.00000	NA	0.00047	379	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	0901	0201g	0.00006	1203	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	0901	0303	0.00096	171	0.00000	NA	0.00255	69	0.00000	NA
0304	4001g	1001	0501	0.00033	358	0.00040	841	0.00089	228	0.00093	228
0304	4001g	1101	0301g	0.00190	92	0.00087	292	0.00528	27	0.00000	NA
0304	4001g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	615
0304	4001g	1103	0301g	0.00027	397	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	1201g	0301g	0.00056	239	0.00000	NA	0.00044	639	0.00067	333
0304	4001g	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00159	115	0.00000	NA
0304	4001g	1301	0501	0.00006	1013	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	1301	0603	0.00123	138	0.00044	696	0.00069	314	0.00047	744
0304	4001g	1302	0604	0.01340	11	0.00261	73	0.00000	NA	0.00131	169
0304	4001g	1303	0301g	0.00012	708	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	785	0.00000	NA
0304	4001g	1401g	0503	0.00064	218	0.00000	NA	0.00044	757	0.00000	NA
0304	4001g	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00092	195	0.00000	NA
0304	4001g	1501	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	750	0.00000	NA
0304	4001g	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	164	0.00000	NA
0304	4001g	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00092	196	0.00000	NA
0304	4001g	1501	0602	0.00519	29	0.00044	689	0.00198	92	0.00000	NA
0304	4001g	1502	0602	0.00006	952	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4001g	1601	0502	0.00029	392	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	725
0304	4002g	0101	0501	0.00005	1397	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4002g	0401	0301g	0.00013	680	0.00000	NA	0.00044	445	0.00000	NA
0304	4002g	0403	0302	0.00013	613	0.00000	NA	0.00133	135	0.00024	859
0304	4002g	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00698	15

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0304	4002g	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00502	26
0304	4002g	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	556	0.00000	NA
0304	4002g	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00326	48
0304	4002g	0801	0402	0.00004	1413	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4002g	0802	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00222	75	0.00000	NA
0304	4002g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00127	171
0304	4002g	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00061	322	0.00000	NA
0304	4002g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00400	36	0.00000	NA
0304	4002g	1101	0301g	0.00008	784	0.00000	NA	0.00099	187	0.00000	NA
0304	4002g	1103	0301g	0.00006	1206	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4002g	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00048	345	0.00000	NA
0304	4002g	1201g	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	378	0.00000	NA
0304	4002g	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	633	0.00000	NA
0304	4002g	1301	0603	0.00009	764	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4002g	1401g	0503	0.00006	954	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4002g	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00056	341
0304	4002g	1402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	422
0304	4002g	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	772	0.00000	NA
0304	4002g	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00080	329
0304	4002g	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	654	0.00000	NA
0304	4002g	1501	0602	0.00006	851	0.00000	NA	0.00396	37	0.00000	NA
0304	4002g	1602	0301g	0.00006	1004	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00233	87
0304	4002g	1602	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	500
0304	4003	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	481	0.00000	NA
0304	4003	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	646	0.00000	NA
0304	4003	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	151	0.00000	NA
0304	4004	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	495
0304	4004	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00186	103
0304	4004	0804	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	432
0304	4004	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	487
0304	4005	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00185	117
0304	4005	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	536
0304	4005	0804	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	496
0304	4005	1305	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	605
0304	4005	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00048	362
0304	4005	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	657
0304	4006	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	166	0.00000	NA
0304	4006	1425	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	494	0.00000	NA
0304	4008	0402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	814
0304	4008	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	244
0304	4008	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00196	98

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0304	4008	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	299
0304	4008	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	383
0304	4008	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00083	326
0304	4008	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	138
0304	4011	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	254
0304	4020	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	772
0304	4023	0101	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	854	0.00000	NA
0304	4023	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	842	0.00000	NA
0304	4027	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	793
0304	4040	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	653	0.00000	NA
0304	4402g	0404	0302	0.00013	625	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4402g	1201g	0301g	0.00006	945	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4403	1503	0602	0.00000	NA	0.00044	612	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4801g	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	393	0.00000	NA
0304	4801g	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	775	0.00000	NA
0304	4901	0801	0402	0.00006	899	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	4901	1503	0602	0.00000	NA	0.00044	679	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	5101g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	504	0.00000	NA
0304	5101g	1101	0301g	0.00006	1265	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	5101g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	519	0.00000	NA
0304	5101g	1602	0301g	0.00000	NA	0.00044	604	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	5102	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	419	0.00000	NA
0304	5201g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	575	0.00000	NA
0304	5201g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	317
0304	5301	0404	0302	0.00000	NA	0.00044	583	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	5401	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	484	0.00000	NA
0304	5501	0401	0302	0.00006	957	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	5501	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	541
0304	5501	1101	0301g	0.00008	767	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	5501	1201g	0301g	0.00006	950	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	5501	1302	0609	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	619
0304	5501	1401g	0503	0.00006	965	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	5501	1601	0502	0.00004	1411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	5604	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	443	0.00000	NA
0304	5701	1101	0301g	0.00003	1429	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	5701	1501	0602	0.00010	737	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	5703	0102	0501	0.00000	NA	0.00044	834	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	5703	1303	0201g	0.00000	NA	0.00044	723	0.00000	NA	0.00000	NA
0304	5801g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	425
0305	1510	1401g	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	756
0305	3501g	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	280

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0305	3501g	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00043	850
0305	3501g	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	509
0305	3905	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	350
0305	4002g	0103	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	733
0305	4002g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	250
0305	4002g	0407	0302	0.00000	NA	0.00087	299	0.00000	NA	0.00372	42
0305	4002g	0417	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	618
0305	4002g	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	155
0305	4002g	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	382
0306	4002g	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	282
0306	4002g	0802	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	677
0306	4002g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00372	41
0306	4002g	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	696
0306	5201g	1301	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	442
0307	4001g	0801	0402	0.00006	1274	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0309	1501g	0701	0303	0.00006	1134	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0319	4001g	0403	0302	0.00006	1231	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0336	5801g	1301	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	482	0.00000	NA
0338	5801g	0804	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	654
0401g	0702g	1501	0602	0.00019	495	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	0705g	0301	0201g	0.00006	1115	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	0705g	1001	0501	0.00006	1297	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	0705g	1106	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	586	0.00000	NA
0401g	0705g	1401g	0503	0.00000	NA	0.00044	617	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	0801g	0301	0201g	0.00013	642	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	0801g	1304	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	554
0401g	1302	1501	0602	0.00006	872	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1501g	0101	0501	0.00065	214	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1501g	0103	0501	0.00005	1389	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1501g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00052	333	0.00000	NA
0401g	1501g	0401	0301g	0.00022	458	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1501g	0401	0302	0.00048	274	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	473
0401g	1501g	0402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	614
0401g	1501g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	311
0401g	1501g	0404	0302	0.00062	222	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1501g	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00659	22	0.00000	NA
0401g	1501g	0408	0304	0.00006	1017	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1501g	0701	0303	0.00016	549	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	646
0401g	1501g	0801	0402	0.00058	229	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1501g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	838
0401g	1501g	0901	0303	0.00010	732	0.00000	NA	0.00089	230	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0401g	1501g	1101	0301g	0.00025	437	0.00000	NA	0.00133	144	0.00000	NA
0401g	1501g	1201g	0301g	0.00012	710	0.00000	NA	0.00044	697	0.00000	NA
0401g	1501g	1301	0603	0.00021	468	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1501g	1303	0301g	0.00006	1036	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1501g	1401g	0503	0.00007	841	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1501g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	683	0.00000	NA
0401g	1501g	1501	0602	0.00043	302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1501g	1502	0601	0.00006	960	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1501g	1506	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	267	0.00000	NA
0401g	1501g	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	385
0401g	1503g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00044	647	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1503g	1401g	0503	0.00000	NA	0.00044	649	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1505	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	812	0.00000	NA
0401g	1510	0101	0501	0.00000	NA	0.00044	588	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1510	0301	0201g	0.00000	NA	0.00087	236	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1510	1303	0301g	0.00000	NA	0.00087	245	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1518	0408	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	450	0.00000	NA
0401g	1518	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	582	0.00000	NA
0401g	1521	0801	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	898	0.00000	NA
0401g	1521	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	904	0.00000	NA
0401g	1527	0401	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	428	0.00000	NA
0401g	1527	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00348	47	0.00000	NA
0401g	1527	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	787	0.00000	NA
0401g	1527	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	273	0.00000	NA
0401g	1527	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00052	331	0.00000	NA
0401g	1534	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	736	0.00000	NA
0401g	1535	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	908	0.00000	NA
0401g	1535	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	902	0.00000	NA
0401g	1539	0802	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	539
0401g	1545	1001	0501	0.00006	1249	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	1801g	1202	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	851	0.00000	NA
0401g	1801g	1303	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	799
0401g	1801g	1503	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	859	0.00000	NA
0401g	2702	0701	0303	0.00006	1172	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	2705g	0901	0303	0.00006	933	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	2705g	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	456	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0101	0501	0.02712	4	0.00412	41	0.00527	28	0.00848	10
0401g	3501g	0101	0604	0.00006	1302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0103	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	630
0401g	3501g	0103	0501	0.00338	44	0.00053	355	0.00000	NA	0.00186	113
0401g	3501g	0301	0201g	0.00153	119	0.00285	69	0.00000	NA	0.00489	27

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0401g	3501g	0302	0301g	0.00000	NA	0.00044	760	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0302	0402	0.00000	NA	0.00380	48	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0401	0301g	0.00000	1479	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0401	0302	0.00060	227	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0402	0302	0.00157	116	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	372
0401g	3501g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00053	329	0.00047	742
0401g	3501g	0403	0305	0.00006	1224	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0404	0301g	0.00006	972	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0404	0302	0.00095	173	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00048	366
0401g	3501g	0404	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	781	0.00000	NA
0401g	3501g	0405	0301g	0.00006	1073	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0405	0302	0.00006	1176	0.00087	281	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	390	0.00000	NA
0401g	3501g	0405	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	814	0.00000	NA
0401g	3501g	0407	0301g	0.00219	70	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0407	0302	0.00013	631	0.00037	845	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0408	0301g	0.00007	820	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	868	0.00000	NA
0401g	3501g	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00200	97
0401g	3501g	0701	0201g	0.00165	105	0.00237	81	0.00045	365	0.00281	54
0401g	3501g	0701	0303	0.00050	268	0.00000	NA	0.00044	782	0.00000	NA
0401g	3501g	0801	0301g	0.00006	936	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0801	0402	0.00079	192	0.00044	439	0.00044	675	0.00140	140
0401g	3501g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00405	36
0401g	3501g	0803	0301g	0.00007	839	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00010	912	0.00000	NA
0401g	3501g	0810	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	689
0401g	3501g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00097	210	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00086	302	0.00000	NA
0401g	3501g	1001	0501	0.00064	217	0.00145	133	0.00000	NA	0.00047	787
0401g	3501g	1101	0301g	0.00260	58	0.00206	95	0.00177	109	0.00140	145
0401g	3501g	1101	0501	0.00000	NA	0.00044	688	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	1101	0602	0.00000	NA	0.00226	83	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	1102	0301g	0.00009	759	0.00526	30	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	1103	0301g	0.00017	533	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	1104	0301g	0.00079	191	0.00044	650	0.00000	NA	0.00274	62
0401g	3501g	1201g	0301g	0.00028	396	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00031	857
0401g	3501g	1201g	0501	0.00000	NA	0.00150	129	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	1301	0603	0.00270	55	0.00000	NA	0.00258	68	0.00236	72
0401g	3501g	1301	0608	0.00000	NA	0.00078	319	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	1301	0611	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	513

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0401g	3501g	1302	0501	0.00000	NA	0.00074	327	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	1302	0502	0.00000	NA	0.00087	305	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	1302	0604	0.00035	345	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	1302	0609	0.00032	373	0.00129	179	0.00000	NA	0.00047	551
0401g	3501g	1303	0301g	0.00018	526	0.00057	350	0.00044	489	0.00000	NA
0401g	3501g	1304	0301g	0.00000	NA	0.00061	342	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	1305	0301g	0.00019	494	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	1401g	0503	0.00302	49	0.00050	365	0.00044	752	0.00229	93
0401g	3501g	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00371	44
0401g	3501g	1403	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	879	0.00000	NA
0401g	3501g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	172	0.00000	NA
0401g	3501g	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00234	74
0401g	3501g	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	810
0401g	3501g	1501	0602	0.00215	75	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00110	178
0401g	3501g	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	386	0.00000	NA
0401g	3501g	1502	0601	0.00006	1113	0.00000	NA	0.00222	79	0.00000	NA
0401g	3501g	1503	0602	0.00000	NA	0.00727	14	0.00000	NA	0.00059	340
0401g	3501g	1601	0502	0.00043	306	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3501g	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00214	96
0401g	3502	0101	0501	0.00008	773	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3502	0102	0501	0.00020	484	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3502	0301	0201g	0.00014	575	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00146	128
0401g	3502	0401	0301g	0.00000	NA	0.00044	735	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3502	0403	0302	0.00006	1032	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3502	0403	0305	0.00052	258	0.00000	NA	0.00044	711	0.00000	NA
0401g	3502	0701	0201g	0.00026	407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	647
0401g	3502	1001	0501	0.00006	1338	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3502	1101	0301g	0.00025	418	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	529
0401g	3502	1104	0301g	0.00682	21	0.00087	251	0.00178	108	0.00744	13
0401g	3502	1104	0503	0.00006	1215	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3502	1104	0603	0.00102	165	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	243
0401g	3502	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	618	0.00047	559
0401g	3502	1301	0603	0.00031	383	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00041	852
0401g	3502	1302	0604	0.00006	877	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3502	1302	0609	0.00006	1033	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3502	1406	0301g	0.00006	1303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3502	1501	0602	0.00006	869	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3502	1502	0601	0.00006	973	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3502	1601	0502	0.00006	1305	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	0101	0501	0.00053	251	0.00000	NA	0.00044	499	0.00146	127
0401g	3503	0103	0501	0.00003	1431	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	437

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0401g	3503	0301	0201g	0.00018	521	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	0401	0301g	0.00072	205	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	0401	0302	0.00043	304	0.00000	NA	0.00011	858	0.00000	NA
0401g	3503	0402	0302	0.00000	NA	0.00044	441	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	0403	0302	0.00108	154	0.00000	NA	0.00089	222	0.00233	77
0401g	3503	0404	0302	0.00001	1467	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	465
0401g	3503	0407	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	688
0401g	3503	0408	0301g	0.00013	636	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	0701	0201g	0.00018	529	0.00044	486	0.00133	165	0.00049	356
0401g	3503	0701	0303	0.00043	308	0.00044	433	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	0703	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	911	0.00000	NA
0401g	3503	0801	0302	0.00025	425	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	0801	0402	0.00088	181	0.00000	NA	0.00044	439	0.00000	NA
0401g	3503	0802	0402	0.00006	964	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	0803	0301g	0.00007	810	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	0901	0303	0.00005	1409	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	1101	0301g	0.00084	185	0.00087	226	0.00356	45	0.00371	43
0401g	3503	1101	0302	0.00006	985	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	1104	0301g	0.00054	247	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00007	963
0401g	3503	1104	0603	0.00006	1178	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	1108	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	712	0.00000	NA
0401g	3503	1139	0301g	0.00006	1298	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	1201g	0301g	0.00204	78	0.00087	287	0.00089	270	0.00000	NA
0401g	3503	1301	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	657	0.00000	NA
0401g	3503	1301	0603	0.00053	254	0.00044	553	0.00311	53	0.00085	324
0401g	3503	1302	0604	0.00107	158	0.00087	260	0.00000	NA	0.00086	323
0401g	3503	1302	0609	0.00007	838	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	811
0401g	3503	1303	0301g	0.00006	1372	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	1401g	0503	0.00038	329	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	498	0.00000	NA
0401g	3503	1501	0602	0.00114	150	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	795
0401g	3503	1501	0603	0.00001	1464	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3503	1502	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	515	0.00000	NA
0401g	3503	1506	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	420	0.00000	NA
0401g	3503	1601	0502	0.00020	478	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3504	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	743
0401g	3505	0101	0501	0.00006	1084	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3505	0411	0302	0.00000	NA	0.00044	466	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3505	0801	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	875	0.00000	NA
0401g	3505	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	665	0.00000	NA
0401g	3505	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	661	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0401g	3505	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	887	0.00000	NA
0401g	3505	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00528	26	0.00000	NA
0401g	3505	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	900	0.00000	NA
0401g	3505	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	663	0.00000	NA
0401g	3505	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00138	127	0.00000	NA
0401g	3505	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	847	0.00000	NA
0401g	3508	0101	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	224
0401g	3508	0102	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	307
0401g	3508	0301	0201g	0.00006	1353	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	740
0401g	3508	0402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00233	80
0401g	3508	0403	0302	0.00069	210	0.00000	NA	0.00089	289	0.00047	640
0401g	3508	0404	0402	0.00006	1094	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3508	0701	0201g	0.00021	467	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3508	0701	0303	0.00006	1332	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3508	1001	0501	0.00044	299	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3508	1101	0301g	0.00054	248	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3508	1103	0301g	0.00006	998	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3508	1104	0301g	0.00057	233	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3508	1201g	0301g	0.00013	644	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3508	1301	0603	0.00017	534	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3508	1302	0604	0.00002	1437	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	794
0401g	3508	1401g	0503	0.00019	520	0.00000	NA	0.00044	543	0.00140	144
0401g	3508	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	301
0401g	3508	1501	0602	0.00010	736	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	711
0401g	3508	1601	0502	0.00013	672	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3512	0101	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	691
0401g	3512	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	703
0401g	3512	0402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00048	371
0401g	3512	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00111	177
0401g	3512	0406	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	889
0401g	3512	0407	0302	0.00013	632	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00720	14
0401g	3512	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	673
0401g	3512	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	913
0401g	3512	0802	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	730
0401g	3512	0802	0402	0.00006	889	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00618	20
0401g	3512	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00071	331
0401g	3512	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00061	335
0401g	3512	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	149
0401g	3514	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	797
0401g	3514	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	391
0401g	3516	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	565

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0401g	3517	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00116	174
0401g	3517	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	389
0401g	3517	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00096	189
0401g	3517	0701	0201g	0.00006	896	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3517	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00652	17
0401g	3517	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00069	332
0401g	3517	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00137	166
0401g	3517	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	233
0401g	3517	1602	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	717
0401g	3520	0302	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	633
0401g	3520	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	664
0401g	3520	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	573
0401g	3522	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	162
0401g	3527	0404	0302	0.00006	1269	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	3528	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	213
0401g	3701	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	789	0.00000	NA
0401g	3701	1303	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	407
0401g	3801	0402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	579	0.00000	NA
0401g	3901g	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	863	0.00000	NA
0401g	3901g	1403	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	861	0.00000	NA
0401g	3901g	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	417
0401g	3913	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	410
0401g	3915	1422	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	706	0.00000	NA
0401g	4001g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00356	43	0.00000	NA
0401g	4001g	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	212	0.00000	NA
0401g	4001g	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	599	0.00000	NA
0401g	4002g	0101	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00048	365
0401g	4002g	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	623	0.00000	NA
0401g	4102	1303	0301g	0.00006	1022	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4201	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	666	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4402g	0101	0501	0.00006	883	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	0101	0501	0.00014	578	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	0102	0501	0.00032	362	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	778
0401g	4403	0301	0201g	0.00047	278	0.00087	284	0.00000	NA	0.00115	175
0401g	4403	0302	0402	0.00000	NA	0.00087	256	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	0401	0301g	0.00013	679	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	0401	0302	0.00000	NA	0.00011	901	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	0402	0302	0.00007	836	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	620
0401g	4403	0404	0302	0.00016	540	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00039	853
0401g	4403	0405	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00233	83

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0401g	4403	0701	0201g	0.01127	12	0.00726	15	0.00178	99	0.01249	6
0401g	4403	0801	0402	0.00019	516	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	0804	0301g	0.00000	NA	0.00087	272	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	1001	0501	0.00011	726	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	1101	0301g	0.00080	190	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	133
0401g	4403	1101	0603	0.00000	NA	0.00044	620	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	1104	0301g	0.00011	722	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00052	347
0401g	4403	1201g	0301g	0.00014	576	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	1201g	0501	0.00000	NA	0.00044	406	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	1202	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	886	0.00000	NA
0401g	4403	1301	0603	0.00013	592	0.00048	374	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	1302	0609	0.00000	NA	0.00080	318	0.00000	NA	0.00047	823
0401g	4403	1303	0301g	0.00000	NA	0.00044	407	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	1303	0609	0.00000	NA	0.00011	874	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	1501	0602	0.00025	441	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	195
0401g	4403	1503	0201g	0.00000	NA	0.00057	349	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4403	1503	0602	0.00006	900	0.01513	5	0.00011	845	0.00093	316
0401g	4403	1602	0602	0.00000	NA	0.00044	561	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4410	1302	0609	0.00000	NA	0.00044	454	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4410	1401g	0602	0.00000	NA	0.00044	718	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4501g	0405	0302	0.00000	NA	0.00044	761	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4501g	1503	0602	0.00000	NA	0.00045	396	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	4801g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	816	0.00000	NA
0401g	4801g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	641	0.00000	NA
0401g	4901	1302	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	580
0401g	5001	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	655	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5001	0804	0402	0.00000	NA	0.00044	539	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5001	0804	0501	0.00000	NA	0.00131	175	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5001	1101	0501	0.00000	NA	0.00044	751	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5001	1302	0501	0.00000	NA	0.00044	528	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5001	1302	0604	0.00006	1156	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5001	1303	0301g	0.00006	977	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5002	0401	0304	0.00006	1019	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5101g	0101	0501	0.00027	400	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5101g	0301	0201g	0.00010	735	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5101g	0401	0301g	0.00006	861	0.00044	490	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5101g	0404	0302	0.00006	1082	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5101g	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	735	0.00000	NA
0401g	5101g	0407	0301g	0.00032	372	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	530
0401g	5101g	0408	0301g	0.00006	986	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5101g	0701	0201g	0.00013	606	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0401g	5101g	0701	0301g	0.00001	1471	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5101g	0701	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	603	0.00000	NA
0401g	5101g	1103	0301g	0.00006	963	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5101g	1301	0603	0.00023	449	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5101g	1501	0502	0.00006	1254	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5101g	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	625	0.00000	NA
0401g	5101g	1502	0601	0.00006	958	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5101g	1503	0201g	0.00000	NA	0.00001	924	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5101g	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	609
0401g	5105	1404	0503	0.00013	651	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5201g	0401	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	881	0.00000	NA
0401g	5201g	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	443
0401g	5201g	0703	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	843	0.00000	NA
0401g	5201g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	399
0401g	5201g	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	313
0401g	5201g	1502	0601	0.00006	1093	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	0101	0501	0.00011	725	0.00044	732	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	0102	0501	0.00032	368	0.00249	80	0.00000	NA	0.00140	147
0401g	5301	0301	0201g	0.00000	NA	0.00678	17	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	0302	0402	0.00000	NA	0.00390	44	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	0405	0302	0.00000	NA	0.00122	186	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	0701	0201g	0.00006	866	0.00581	25	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	0804	0203	0.00000	NA	0.00044	552	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	0804	0301g	0.00006	1091	0.01583	4	0.00000	NA	0.00186	105
0401g	5301	0806	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	514
0401g	5301	1001	0501	0.00000	NA	0.00312	62	0.00000	NA	0.00047	434
0401g	5301	1101	0301g	0.00012	688	0.00215	93	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	1101	0502	0.00000	NA	0.00174	116	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	1101	0602	0.00000	NA	0.00858	13	0.00000	NA	0.00093	210
0401g	5301	1102	0301g	0.00000	NA	0.00165	124	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	460
0401g	5301	1201g	0501	0.00000	NA	0.00201	96	0.00000	NA	0.00047	552
0401g	5301	1301	0603	0.00000	NA	0.00123	185	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	1301	0608	0.00000	NA	0.00076	324	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	1301	0609	0.00000	NA	0.00044	472	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	1302	0501	0.00000	NA	0.00337	55	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	1302	0604	0.00206	77	0.00222	84	0.00000	NA	0.00372	40
0401g	5301	1302	0609	0.00015	556	0.00337	54	0.00044	540	0.00047	790
0401g	5301	1303	0201g	0.00000	NA	0.00392	43	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	1303	0301g	0.00000	NA	0.00303	65	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	453	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0401g	5301	1501	0602	0.00010	740	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5301	1503	0602	0.00000	NA	0.01305	6	0.00000	NA	0.00186	112
0401g	5301	1602	0502	0.00000	NA	0.00251	78	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5501	0406	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	876
0401g	5501	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	945
0401g	5601	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	572	0.00000	NA
0401g	5601	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	617	0.00000	NA
0401g	5601	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	382	0.00000	NA
0401g	5601	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	715	0.00000	NA
0401g	5701	0701	0303	0.00006	1226	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5702	0101	0501	0.00007	816	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5702	0701	0201g	0.00019	518	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5703	0101	0501	0.00000	NA	0.00087	264	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5703	0401	0302	0.00000	NA	0.00011	908	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5703	1303	0609	0.00000	NA	0.00011	919	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5801g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00044	597	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5802	0701	0201g	0.00000	NA	0.00131	165	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	5802	1102	0301g	0.00000	NA	0.00044	648	0.00000	NA	0.00000	NA
0401g	8201	1301	0501	0.00000	NA	0.00044	799	0.00000	NA	0.00000	NA
0403	1301	0701	0201g	0.00000	NA	0.00044	813	0.00000	NA	0.00000	NA
0403	1301	0802	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	664	0.00000	NA
0403	1301	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	813	0.00000	NA
0403	1301	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	371	0.00000	NA
0403	1301	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	162	0.00000	NA
0403	1512g	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	209	0.00000	NA
0403	1521	0801	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	888	0.00000	NA
0403	1521	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	753	0.00000	NA
0403	1521	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	880	0.00000	NA
0403	1521	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	284	0.00000	NA
0403	1521	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	169	0.00000	NA
0403	1525	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	394	0.00000	NA
0403	1525	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00311	54	0.00000	NA
0403	1525	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	239	0.00000	NA
0403	1525	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	539	0.00000	NA
0403	1525	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	240	0.00000	NA
0403	3505	0801	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	895	0.00000	NA
0403	3505	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	907	0.00000	NA
0403	3901g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	438	0.00000	NA
0403	4001g	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	269	0.00000	NA
0403	4010	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	264	0.00000	NA
0403	4601	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	621	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0404	3501g	0407	0302	0.00006	1143	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0405	3501g	0404	0302	0.00006	1008	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0406	1301	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	541	0.00000	NA
0406	1301	1302	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	578	0.00000	NA
0406	1301	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	436	0.00000	NA
0407	1531	0101	0501	0.00000	NA	0.00044	750	0.00000	NA	0.00000	NA
0407	4415	1102	0301g	0.00000	NA	0.00044	467	0.00000	NA	0.00000	NA
0407	4501g	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00044	801	0.00000	NA	0.00000	NA
0407	4501g	1301	0303	0.00000	NA	0.00044	624	0.00000	NA	0.00000	NA
0408	3501g	0701	0201g	0.00000	NA	0.00087	274	0.00000	NA	0.00000	NA
0410	5201g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	372	0.00000	NA
0410	5601	1502	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	802	0.00000	NA
0413	5301	0102	0501	0.00000	NA	0.00087	231	0.00000	NA	0.00000	NA
0413	5301	1102	0301g	0.00000	NA	0.00044	764	0.00000	NA	0.00000	NA
0427	1531	0101	0501	0.00000	NA	0.00044	559	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	0702g	0101	0501	0.00013	648	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	0702g	0401	0302	0.00006	1012	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	0702g	0801	0402	0.00006	979	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	0702g	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	266
0501g	0801g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00044	527	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	0801g	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	897	0.00000	NA
0501g	0801g	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	905	0.00000	NA
0501g	1302	1101	0301g	0.00006	1251	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1501g	0901	0303	0.00006	1170	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1501g	1201g	0301g	0.00006	1099	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1501g	1401g	0503	0.00006	1152	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1503g	1503	0501	0.00000	NA	0.00044	671	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1517	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	594	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1517	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	870
0501g	1517	1101	0501	0.00000	NA	0.00044	684	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1517	1101	0502	0.00000	NA	0.00044	580	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1517	1303	0201g	0.00000	NA	0.00087	289	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1517	1503	0602	0.00000	NA	0.00087	307	0.00000	NA	0.00012	897
0501g	1537	1101	0502	0.00000	NA	0.00011	909	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1537	1602	0502	0.00000	NA	0.00011	907	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	0101	0501	0.00045	290	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	0103	0501	0.00000	NA	0.00034	850	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	0301	0201g	0.00965	15	0.00429	40	0.00044	691	0.01239	7
0501g	1801g	0301	0301g	0.00006	942	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	0301	0501	0.00000	NA	0.00011	891	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	0401	0301g	0.00006	1377	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0501g	1801g	0401	0302	0.00006	1317	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	429
0501g	1801g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	755
0501g	1801g	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00082	327
0501g	1801g	0407	0301g	0.00006	1365	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	0701	0201g	0.00020	481	0.00131	161	0.00000	NA	0.00047	438
0501g	1801g	0801	0402	0.00012	687	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	0804	0301g	0.00000	NA	0.00021	862	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	0806	0402	0.00000	NA	0.00011	877	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	0901	0303	0.00006	848	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	1101	0301g	0.00014	580	0.00087	282	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	1101	0502	0.00000	NA	0.00011	884	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	1101	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	449
0501g	1801g	1104	0301g	0.00003	1433	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	354
0501g	1801g	1301	0603	0.00010	733	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00053	345
0501g	1801g	1302	0604	0.00006	1354	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	659
0501g	1801g	1302	0609	0.00000	NA	0.00044	812	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	1303	0301g	0.00000	NA	0.00038	844	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	1304	0301g	0.00000	NA	0.00087	295	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	1305	0301g	0.00013	605	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	1401g	0503	0.00048	272	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00018	864
0501g	1801g	1501	0602	0.00022	463	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	1503	0602	0.00000	NA	0.00131	149	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	1801g	1602	0502	0.00000	NA	0.00011	882	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	2702	1101	0301g	0.00006	1009	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	2702	1301	0603	0.00006	1042	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	2702	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	759
0501g	2705g	0401	0301g	0.00006	927	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	2705g	1101	0301g	0.00006	1228	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	3801	0401	0303	0.00002	1449	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	3801	0402	0304	0.00002	1460	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	3906	0801	0402	0.00006	1286	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	3911	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	940
0501g	3911	1503	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	900
0501g	4001g	0101	0501	0.00011	727	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4001g	0401	0302	0.00002	1442	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4002g	0301	0501	0.00000	NA	0.00011	898	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4002g	0806	0402	0.00000	NA	0.00011	867	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4002g	1101	0301g	0.00006	1287	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4002g	1602	0502	0.00006	1072	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4101	0403	0402	0.00000	NA	0.00011	881	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0501g	4101	0404	0402	0.00000	NA	0.00011	885	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	0101	0501	0.00669	24	0.00174	111	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	0103	0301g	0.00025	438	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	0103	0501	0.00027	405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	0301	0201g	0.00133	128	0.00087	228	0.00097	188	0.00050	349
0501g	4402g	0401	0301g	0.03026	3	0.00607	22	0.00000	NA	0.00465	29
0501g	4402g	0401	0302	0.00203	81	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	884
0501g	4402g	0401	0303	0.00002	1446	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	0402	0302	0.00065	216	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00512	24
0501g	4402g	0402	0304	0.00002	1450	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	0403	0402	0.00000	NA	0.00011	895	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	0404	0302	0.00165	107	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	0404	0402	0.00000	NA	0.00011	917	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	0407	0301g	0.00027	404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	0408	0301g	0.00007	825	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	0701	0201g	0.00141	125	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	0701	0303	0.00024	444	0.00000	NA	0.00044	505	0.00000	NA
0501g	4402g	0801	0402	0.00196	87	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	0803	0301g	0.00006	874	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	0901	0303	0.00078	194	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	918
0501g	4402g	1001	0501	0.00028	393	0.00044	693	0.00011	841	0.00047	650
0501g	4402g	1101	0301g	0.00254	60	0.00044	569	0.00036	828	0.00233	79
0501g	4402g	1101	0302	0.00006	1250	0.00044	632	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	1101	0502	0.00013	646	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	1103	0301g	0.00025	424	0.00044	811	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	1104	0301g	0.00208	76	0.00044	831	0.00000	NA	0.00140	154
0501g	4402g	1201g	0301g	0.00399	36	0.00133	146	0.00011	890	0.00233	82
0501g	4402g	1301	0303	0.00006	962	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	1301	0603	0.00896	16	0.00131	167	0.00222	80	0.00600	21
0501g	4402g	1302	0604	0.00117	147	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	680
0501g	4402g	1302	0609	0.00013	600	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	1303	0301g	0.00011	728	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	1311	0301g	0.00006	1111	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	1320	0603	0.00000	NA	0.00044	776	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	1401g	0503	0.00128	134	0.00087	244	0.00000	NA	0.00050	351
0501g	4402g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	227	0.00000	NA
0501g	4402g	1501	0602	0.00725	19	0.00218	90	0.00000	NA	0.00229	91
0501g	4402g	1501	0603	0.00008	779	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	1601	0502	0.00069	211	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4402g	1602	0502	0.00007	802	0.00000	NA	0.00044	721	0.00000	NA
0501g	4403	1101	0301g	0.00006	1057	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0501g	4409	0401	0301g	0.00006	1246	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4501g	0701	0201g	0.00006	1308	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	4901	1303	0301g	0.00006	1262	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	5001	0701	0201g	0.00006	920	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	5001	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	612
0501g	5001	1303	0301g	0.00006	976	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	5101g	0401	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	901
0501g	5101g	0404	0302	0.00013	594	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	5101g	0405	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	775
0501g	5101g	0407	0301g	0.00007	837	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	5101g	0408	0301g	0.00006	1346	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	518
0501g	5101g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	920
0501g	5101g	1104	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	557
0501g	5101g	1301	0603	0.00035	343	0.00044	474	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	5101g	1303	0301g	0.00006	850	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	5101g	1401g	0503	0.00008	775	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	5101g	1601	0502	0.00003	1430	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	5108	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	709	0.00000	NA
0501g	5119	0101	0501	0.00006	980	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0501g	5802	0404	0302	0.00000	NA	0.00044	446	0.00000	NA	0.00000	NA
0505	4402g	0401	0301g	0.00013	629	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0505	4402g	0901	0201g	0.00006	901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0507N	4402g	1302	0604	0.00006	1169	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0509	5601	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	836
0602	0702g	0401	0302	0.00000	NA	0.00044	699	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	0702g	1201g	0301g	0.00006	1212	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	0702g	1501	0602	0.00006	868	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	0801g	0301	0201g	0.00006	1321	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00052	348
0602	0801g	1303	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00042	851
0602	1302	0101	0501	0.00054	246	0.00121	188	0.00000	NA	0.00096	190
0602	1302	0102	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	642
0602	1302	0301	0201g	0.00048	275	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	0401	0301g	0.00021	475	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	0401	0302	0.00007	807	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	0402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	794	0.00047	597
0602	1302	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	692	0.00000	NA
0602	1302	0404	0302	0.00025	440	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	0405	0302	0.00006	1273	0.00000	NA	0.00089	219	0.00000	NA
0602	1302	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	357	0.00000	NA
0602	1302	0408	0301g	0.00000	NA	0.00044	710	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	463	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0602	1302	0701	0201g	0.02125	7	0.00434	39	0.01288	8	0.00928	9
0602	1302	0701	0303	0.00026	410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	414
0602	1302	0801	0402	0.00009	758	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	809	0.00000	NA
0602	1302	0803	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	547	0.00000	NA
0602	1302	1001	0501	0.00006	1227	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	1101	0301g	0.00039	327	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	1101	0304	0.00006	915	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	1103	0301g	0.00005	1399	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	404
0602	1302	1104	0301g	0.00033	352	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	655
0602	1302	1201g	0301g	0.00010	734	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	1201g	0501	0.00000	NA	0.00044	709	0.00000	NA	0.00047	621
0602	1302	1301	0603	0.00052	256	0.00077	322	0.00044	594	0.00000	NA
0602	1302	1302	0604	0.00017	538	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	1302	0609	0.00007	801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	1303	0301g	0.00006	1343	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	1304	0301g	0.00000	NA	0.00027	856	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	1401g	0503	0.00012	686	0.00080	317	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	437	0.00000	NA
0602	1302	1501	0502	0.00006	1007	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	1501	0602	0.00078	196	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1302	1501	0603	0.00006	867	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1401	1302	0501	0.00000	NA	0.00044	800	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1501g	0401	0302	0.00006	932	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1501g	1501	0602	0.00013	593	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	1801g	1104	0301g	0.00019	497	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	2702	1104	0301g	0.00006	1083	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3501g	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	470	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3501g	0405	0302	0.00000	NA	0.00044	626	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3501g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00044	720	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3501g	1001	0501	0.00000	NA	0.00044	480	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3501g	1101	0301g	0.00006	967	0.00131	157	0.00000	NA	0.00047	423
0602	3502	1103	0301g	0.00013	641	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3502	1104	0301g	0.00045	291	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3503	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	551	0.00000	NA
0602	3503	1301	0603	0.00006	1052	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3503	1305	0301g	0.00006	1236	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3508	1101	0301g	0.00006	922	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3508	1104	0301g	0.00006	1208	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3701	0101	0501	0.00116	148	0.00000	NA	0.00045	656	0.00047	644
0602	3701	0103	0501	0.00007	823	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0602	3701	0301	0201g	0.00003	1426	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	515
0602	3701	0401	0301g	0.00040	320	0.00087	302	0.00000	NA	0.00047	829
0602	3701	0401	0302	0.00069	209	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3701	0404	0302	0.00022	462	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3701	0406	0402	0.00006	1296	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3701	0407	0301g	0.00001	1461	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3701	0701	0201g	0.00055	241	0.00087	255	0.00044	577	0.00093	222
0602	3701	0701	0303	0.00027	403	0.00044	525	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3701	0801	0402	0.00040	324	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3701	1001	0501	0.00404	35	0.00000	NA	0.01111	12	0.00279	56
0602	3701	1101	0301g	0.00118	145	0.00087	288	0.00044	495	0.00000	NA
0602	3701	1103	0301g	0.00018	523	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	721
0602	3701	1104	0301g	0.00020	482	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3701	1104	0603	0.00006	1060	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3701	1201g	0301g	0.00002	1435	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3701	1301	0603	0.00078	193	0.00087	234	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3701	1302	0604	0.00040	323	0.00044	593	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3701	1302	0609	0.00005	1404	0.00000	NA	0.00044	440	0.00000	NA
0602	3701	1401g	0503	0.00030	385	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3701	1501	0602	0.00218	71	0.00044	815	0.00000	NA	0.00047	522
0602	3701	1601	0502	0.00013	596	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3801	1104	0301g	0.00025	433	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3801	1301	0603	0.00007	829	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	3901g	1601	0502	0.00006	1135	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4006	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	232	0.00000	NA
0602	4101	0405	0201g	0.00006	966	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00233	81
0602	4101	0701	0201g	0.00006	1239	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4101	1302	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	776
0602	4102	0101	0501	0.00006	1200	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4402g	0401	0301g	0.00006	934	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4402g	1101	0301g	0.00006	1174	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4403	0102	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	577
0602	4418	0301	0201g	0.00000	NA	0.00044	708	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4501g	0102	0501	0.00000	NA	0.00044	524	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4501g	0301	0201g	0.00008	780	0.00044	695	0.00000	NA	0.00093	207
0602	4501g	0401	0301g	0.00200	83	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4501g	0402	0302	0.00006	929	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4501g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	153
0602	4501g	0404	0302	0.00013	684	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4501g	0405	0302	0.00000	NA	0.00048	376	0.00000	NA	0.00047	600
0602	4501g	0701	0201g	0.00112	152	0.00143	136	0.00089	281	0.00047	547

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0602	4501g	0804	0301g	0.00000	NA	0.00044	611	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4501g	0901	0201g	0.00006	1288	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4501g	1101	0301g	0.00015	562	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	570
0602	4501g	1101	0501	0.00000	NA	0.00044	824	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4501g	1101	0602	0.00000	NA	0.00300	67	0.00000	NA	0.00047	439
0602	4501g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00031	851	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4501g	1201g	0301g	0.00006	1366	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	503
0602	4501g	1301	0609	0.00000	NA	0.00044	445	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4501g	1302	0501	0.00000	NA	0.00044	777	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4501g	1302	0604	0.00001	1469	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4501g	1501	0602	0.00021	470	0.00000	NA	0.00044	768	0.00093	305
0602	4501g	1503	0602	0.00000	NA	0.00087	243	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4701	0101	0501	0.00000	NA	0.00044	788	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4701	0301	0201g	0.00012	704	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4701	0401	0302	0.00013	658	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4701	0405	0302	0.00051	264	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00186	109
0602	4701	0701	0201g	0.00088	182	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	221
0602	4701	1301	0603	0.00032	366	0.00000	NA	0.00044	374	0.00047	780
0602	4701	1302	0604	0.00021	472	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4701	1401g	0503	0.00006	1101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4702	0701	0201g	0.00006	1225	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	4901	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	239
0602	5001	0101	0501	0.00017	530	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	0102	0501	0.00000	NA	0.00044	668	0.00000	NA	0.00047	374
0602	5001	0301	0201g	0.00121	139	0.00000	NA	0.00133	138	0.00270	63
0602	5001	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	402	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	0401	0301g	0.00007	805	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	0403	0304	0.00006	1299	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	737
0602	5001	0406	0402	0.00013	640	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	0701	0201g	0.00477	30	0.00216	92	0.00356	44	0.00555	23
0602	5001	0701	0303	0.00006	1255	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	0801	0402	0.00006	1380	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	0804	0604	0.00000	NA	0.00044	562	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	0806	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	686
0602	5001	0901	0201g	0.00000	NA	0.00044	772	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00092	321
0602	5001	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	501
0602	5001	1101	0501	0.00000	NA	0.00044	713	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	1102	0301g	0.00006	1210	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	1103	0301g	0.00013	665	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0602	5001	1104	0301g	0.00017	536	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	1201g	0301g	0.00003	1428	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	1301	0603	0.00007	796	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	1302	0501	0.00000	NA	0.00044	687	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	1302	0604	0.00031	379	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00148	126
0602	5001	1303	0301g	0.00000	NA	0.00044	628	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	1401g	0501	0.00000	NA	0.00082	315	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	269
0602	5001	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	798	0.00000	NA
0602	5001	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	631	0.00000	NA
0602	5001	1501	0602	0.00022	460	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00096	188
0602	5001	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	844
0602	5001	1503	0602	0.00000	NA	0.00092	214	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5001	1602	0502	0.00000	NA	0.00131	172	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5002	0301	0201g	0.00006	924	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5002	1103	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	281
0602	5101g	0901	0303	0.00006	995	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5101g	1101	0302	0.00006	919	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5301	0102	0501	0.00000	NA	0.00044	637	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5301	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	417	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5301	0401	0302	0.00000	NA	0.00044	634	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5301	0701	0201g	0.00000	NA	0.00137	140	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5301	0806	0301g	0.00000	NA	0.00044	568	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5301	0901	0201g	0.00000	NA	0.00305	64	0.00000	NA	0.00140	148
0602	5301	1101	0602	0.00000	NA	0.00139	139	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5301	1102	0301g	0.00000	NA	0.00061	343	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5301	1301	0602	0.00000	NA	0.00044	598	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5301	1302	0604	0.00013	652	0.00081	316	0.00000	NA	0.00047	566
0602	5301	1303	0301g	0.00000	NA	0.00192	101	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5401	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	485	0.00000	NA
0602	5501	1104	0301g	0.00006	1309	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	0101	0501	0.00153	118	0.00000	NA	0.00089	282	0.00000	NA
0602	5701	0103	0501	0.00004	1421	0.00044	756	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	0301	0201g	0.00065	215	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	0401	0301g	0.00012	690	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	0402	0302	0.00025	442	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	0403	0302	0.00006	1191	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	0404	0301g	0.00006	1104	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	0404	0302	0.00042	311	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	0407	0301g	0.00017	537	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	0408	0301g	0.00006	1373	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0602	5701	0701	0201g	0.00091	177	0.00000	NA	0.00045	662	0.00000	NA
0602	5701	0701	0301g	0.00013	622	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	0701	0302	0.00006	1048	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	0701	0303	0.02514	6	0.00261	74	0.01111	11	0.00558	22
0602	5701	0801	0402	0.00026	417	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	0901	0303	0.00000	NA	0.00044	644	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	265	0.00093	214
0602	5701	1101	0301g	0.00089	178	0.00000	NA	0.00045	369	0.00000	NA
0602	5701	1102	0301g	0.00006	882	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	1104	0301g	0.00045	286	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	1201g	0301g	0.00013	670	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	1301	0603	0.00132	129	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	1302	0604	0.00017	539	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	1303	0301g	0.00031	382	0.00044	502	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	1305	0301g	0.00159	115	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	593
0602	5701	1401g	0503	0.00002	1444	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	163	0.00000	NA
0602	5701	1501	0602	0.00184	94	0.00000	NA	0.00044	464	0.00000	NA
0602	5701	1501	0603	0.00006	1295	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5701	1506	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	254	0.00000	NA
0602	5701	1601	0502	0.00020	483	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	764
0602	5701	1602	0502	0.00006	914	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5703	0701	0201g	0.00006	981	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5703	1303	0201g	0.00000	NA	0.00044	807	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5703	1304	0301g	0.00000	NA	0.00044	483	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5801g	1303	0301g	0.00006	948	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	0101	0501	0.00000	NA	0.00050	366	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	0102	0501	0.00000	NA	0.00063	341	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	706
0602	5802	0405	0302	0.00000	NA	0.00044	469	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	0701	0201g	0.00000	NA	0.00022	859	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	0804	0301g	0.00000	NA	0.00101	206	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	0806	0602	0.00000	NA	0.00044	582	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	1101	0301g	0.00000	NA	0.00084	313	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	1101	0602	0.00000	NA	0.00077	323	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	1101	0603	0.00000	NA	0.00044	782	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	1102	0301g	0.00006	1271	0.00296	68	0.00000	NA	0.00093	264
0602	5802	1104	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	201
0602	5802	1201g	0501	0.00000	NA	0.01305	7	0.00000	NA	0.00093	198
0602	5802	1301	0303	0.00000	NA	0.00519	32	0.00000	NA	0.00047	803
0602	5802	1301	0603	0.00000	NA	0.00111	196	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0602	5802	1301	0604	0.00000	NA	0.00131	174	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	1301	0608	0.00000	NA	0.00055	353	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	1302	0609	0.00000	NA	0.00097	208	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	1303	0301g	0.00000	NA	0.00044	489	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	1401g	0503	0.00000	NA	0.00085	312	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	1401g	0602	0.00000	NA	0.00044	422	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	1503	0201g	0.00000	NA	0.00044	653	0.00000	NA	0.00000	NA
0602	5802	1503	0602	0.00000	NA	0.00355	50	0.00000	NA	0.00000	NA
0603	5701	0701	0303	0.00006	1180	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0610	5701	0701	0303	0.00006	1222	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0702g	0101	0501	0.00006	1368	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0702g	0103	0501	0.00006	1326	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0702g	0401	0301g	0.00006	1374	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0702g	0401	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00023	860
0701g	0702g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00044	654	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0702g	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	401
0701g	0702g	1101	0201g	0.00000	NA	0.00087	253	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0702g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00087	273	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0702g	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	540	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0702g	1201g	0501	0.00000	NA	0.00044	605	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0702g	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	726	0.00000	NA
0701g	0702g	1301	0603	0.00000	NA	0.00087	239	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0702g	1301	0608	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00023	861
0701g	0702g	1302	0604	0.00012	711	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0702g	1302	0609	0.00000	NA	0.00044	538	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0702g	1401g	0201g	0.00000	NA	0.00044	731	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0702g	1501	0602	0.00002	1440	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00187	101
0701g	0705g	0405	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	253
0701g	0801g	0101	0501	0.00321	46	0.00088	223	0.00000	NA	0.00138	165
0701g	0801g	0101	0504	0.00006	996	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	0102	0501	0.00000	NA	0.00131	154	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	0103	0501	0.00011	719	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	927
0701g	0801g	0301	0201g	0.09821	1	0.02068	2	0.00054	326	0.02551	2
0701g	0801g	0301	0501	0.00000	NA	0.00044	765	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	0301	0602	0.00025	427	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	0302	0203	0.00000	NA	0.00044	485	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	0401	0301g	0.00159	114	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	0401	0302	0.00131	130	0.00000	NA	0.00044	469	0.00000	NA
0701g	0801g	0404	0302	0.00217	74	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	781
0701g	0801g	0407	0301g	0.00021	474	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	0407	0302	0.00000	NA	0.00050	363	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0701g	0801g	0408	0301g	0.00006	1339	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	0408	0304	0.00013	656	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	0701	0201g	0.00118	143	0.00044	403	0.00000	NA	0.00095	191
0701g	0801g	0701	0303	0.00154	117	0.00044	595	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	0801	0402	0.00073	204	0.00044	430	0.00044	395	0.00000	NA
0701g	0801g	0901	0303	0.00031	381	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	1001	0501	0.00001	1470	0.00000	NA	0.00011	853	0.00000	NA
0701g	0801g	1101	0201g	0.00000	NA	0.00044	780	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	1101	0301g	0.00165	106	0.00218	87	0.00000	NA	0.00047	428
0701g	0801g	1101	0602	0.00006	928	0.00044	437	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00044	401	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	1103	0301g	0.00007	856	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	1104	0301g	0.00040	322	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	847
0701g	0801g	1201g	0301g	0.00033	355	0.00000	NA	0.00011	873	0.00000	NA
0701g	0801g	1201g	0501	0.00000	NA	0.00044	451	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	1301	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	834
0701g	0801g	1301	0503	0.00006	1002	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	1301	0603	0.00276	53	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00428	33
0701g	0801g	1302	0604	0.00054	244	0.00087	229	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	1302	0609	0.00011	717	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	1303	0301g	0.00005	1403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00237	71
0701g	0801g	1401g	0503	0.00033	360	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00048	360
0701g	0801g	1501	0501	0.00013	655	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	1501	0602	0.00626	26	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00224	94
0701g	0801g	1501	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	881
0701g	0801g	1502	0601	0.00006	1058	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	519
0701g	0801g	1503	0602	0.00000	NA	0.00046	382	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	0801g	1601	0502	0.00007	792	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	420
0701g	0805	0408	0304	0.00006	1181	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1302	0901	0201g	0.00000	NA	0.00044	423	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1401	1303	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	944
0701g	1401	1503	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	907
0701g	1501g	1501	0602	0.00006	1351	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1503g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	670
0701g	1516	0102	0501	0.00000	NA	0.00044	494	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1517	0102	0501	0.00006	1160	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1517	0402	0302	0.00006	1149	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1517	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00103	183
0701g	1517	1001	0501	0.00007	813	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1517	1101	0301g	0.00013	586	0.00000	NA	0.00089	250	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0701g	1517	1103	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	413
0701g	1517	1117	0503	0.00000	NA	0.00044	724	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1517	1301	0603	0.00006	1285	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1517	1302	0501	0.00013	669	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1517	1302	0603	0.00006	1234	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1517	1302	0604	0.00183	96	0.00087	266	0.00311	52	0.00455	31
0701g	1517	1303	0301g	0.00013	611	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1517	1501	0502	0.00006	1235	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1517	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	509	0.00186	115
0701g	1517	1501	0603	0.00007	804	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1535	0405	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00035	830	0.00000	NA
0701g	1801g	0101	0501	0.00060	226	0.00042	836	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	0103	0301g	0.00006	1379	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	0301	0201g	0.00028	394	0.00045	393	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	531	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	0401	0301g	0.00000	1473	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	0401	0302	0.00052	255	0.00044	519	0.00000	NA	0.00093	245
0701g	1801g	0402	0302	0.00006	1005	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	0403	0301g	0.00000	NA	0.00044	599	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	0403	0302	0.00052	257	0.00000	NA	0.00067	316	0.00047	753
0701g	1801g	0403	0305	0.00006	898	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	0404	0302	0.00009	753	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	0405	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	736
0701g	1801g	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	722	0.00000	NA
0701g	1801g	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	555
0701g	1801g	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	543
0701g	1801g	0701	0201g	0.00076	199	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	613
0701g	1801g	0801	0402	0.00067	212	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	0901	0303	0.00042	312	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	1001	0501	0.00001	1468	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	1101	0301g	0.00257	59	0.00000	NA	0.00066	319	0.00000	NA
0701g	1801g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	217
0701g	1801g	1103	0301g	0.00006	855	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	1104	0301g	0.00677	22	0.00087	248	0.00000	NA	0.00186	106
0701g	1801g	1201g	0301g	0.00033	354	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	1201g	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	729
0701g	1801g	1301	0603	0.00112	151	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	308
0701g	1801g	1301	0609	0.00000	NA	0.00044	734	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	1302	0604	0.00011	723	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	1401g	0503	0.00073	203	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	292	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0701g	1801g	1501	0502	0.00013	649	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	1501	0602	0.00172	100	0.00087	294	0.00000	NA	0.00047	478
0701g	1801g	1503	0602	0.00000	NA	0.00044	793	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	1506	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	233	0.00000	NA
0701g	1801g	1601	0502	0.00026	415	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1801g	1602	0502	0.00000	NA	0.00087	250	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1803	0701	0201g	0.00006	1292	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	735
0701g	1803	1104	0301g	0.00044	294	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1803	1401g	0503	0.00006	1177	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1804	1104	0301g	0.00006	1034	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	1806	1104	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	436
0701g	2705g	1301	0603	0.00006	1150	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3501g	0101	0501	0.00006	1334	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3501g	1001	0501	0.00000	NA	0.00034	849	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3501g	1101	0301g	0.00000	1472	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3501g	1302	0501	0.00000	NA	0.00131	166	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3501g	1304	0301g	0.00000	NA	0.00087	225	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3502	1104	0301g	0.00013	638	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3503	0408	0304	0.00002	1443	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3508	1401g	0503	0.00006	891	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3903	1104	0603	0.00006	1168	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3903	1303	0301g	0.00013	626	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3903	1501	0602	0.00006	1090	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3906	0101	0501	0.00013	614	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3906	0801	0402	0.00006	1197	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3906	1501	0602	0.00006	1132	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3924	1101	0301g	0.00006	1159	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3924	1302	0609	0.00006	1125	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3924	1303	0301g	0.00019	496	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	3924	1601	0502	0.00006	1233	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4001g	1101	0301g	0.00006	1263	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4001g	1302	0604	0.00006	1218	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4002g	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	465	0.00000	NA
0701g	4006	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	705	0.00000	NA
0701g	4101	0101	0501	0.00006	911	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4101	0102	0501	0.00006	1364	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4101	0404	0402	0.00006	1031	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4101	0405	0201g	0.00006	1157	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4101	0405	0302	0.00000	NA	0.00044	550	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4101	0701	0201g	0.00013	587	0.00075	326	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4101	0804	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	248

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0701g	4101	1101	0501	0.00000	NA	0.00044	409	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4101	1302	0501	0.00000	NA	0.00044	613	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4101	1305	0301g	0.00025	431	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	283
0701g	4101	1503	0602	0.00000	NA	0.00143	137	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4201	1101	0301g	0.00000	NA	0.00044	658	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4402g	0401	0301g	0.00005	1385	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4402g	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	882	0.00000	NA
0701g	4402g	1101	0301g	0.00012	689	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4402g	1201g	0301g	0.00006	1367	0.00000	NA	0.00011	849	0.00000	NA
0701g	4402g	1301	0603	0.00006	1117	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4403	0401	0302	0.00000	NA	0.00011	915	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4403	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00222	82	0.00000	NA
0701g	4403	0405	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	236
0701g	4403	0701	0201g	0.00038	335	0.00131	169	0.02043	5	0.00279	59
0701g	4403	0701	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	442	0.00000	NA
0701g	4403	1001	0501	0.00006	925	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4403	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	362	0.00000	NA
0701g	4403	1104	0301g	0.00000	NA	0.00044	820	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4403	1104	0502	0.00000	NA	0.00044	487	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4403	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	368	0.00000	NA
0701g	4403	1301	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	668	0.00000	NA
0701g	4403	1302	0501	0.00000	NA	0.00044	546	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4403	1302	0604	0.00006	847	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4403	1303	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	526
0701g	4403	1303	0609	0.00000	NA	0.00011	875	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4403	1304	0301g	0.00000	NA	0.00011	872	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4403	1401g	0503	0.00013	677	0.00000	NA	0.00044	430	0.00000	NA
0701g	4403	1401g	0602	0.00000	NA	0.00011	911	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4403	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	761	0.00000	NA
0701g	4403	1503	0602	0.00000	NA	0.00096	211	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4403	1506	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	512	0.00000	NA
0701g	4701	1101	0611	0.00000	NA	0.00044	712	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4701	1102	0301g	0.00000	NA	0.00044	566	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4701	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	544
0701g	4703	0405	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	745
0701g	4703	1503	0602	0.00000	NA	0.00087	293	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4801g	1402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	959
0701g	4801g	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	937
0701g	4901	0101	0501	0.00088	180	0.00060	344	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	0101	0504	0.00108	155	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	0102	0501	0.00000	NA	0.00051	360	0.00000	NA	0.00144	129

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0701g	4901	0301	0201g	0.00024	447	0.00142	138	0.00000	NA	0.00046	754
0701g	4901	0302	0402	0.00000	NA	0.00152	128	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	0401	0301g	0.00035	344	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	0401	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00023	862
0701g	4901	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	608
0701g	4901	0404	0302	0.00005	1391	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	0405	0302	0.00171	101	0.00115	192	0.00000	NA	0.00643	19
0701g	4901	0406	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	591
0701g	4901	0407	0301g	0.00010	729	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	0408	0301g	0.00006	912	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	0701	0201g	0.00066	213	0.00200	97	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	0701	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00060	339
0701g	4901	0804	0301g	0.00000	NA	0.00095	213	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	0901	0201g	0.00000	NA	0.00235	82	0.00000	NA	0.00047	576
0701g	4901	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	653
0701g	4901	1001	0501	0.00005	1386	0.00174	108	0.00000	NA	0.00265	65
0701g	4901	1101	0301g	0.00243	64	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00098	186
0701g	4901	1101	0602	0.00000	NA	0.00218	89	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	1102	0301g	0.00051	260	0.00075	325	0.00000	NA	0.00279	61
0701g	4901	1103	0301g	0.00004	1418	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	1104	0301g	0.00137	127	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	168
0701g	4901	1201g	0301g	0.00006	1331	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	1301	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	433
0701g	4901	1301	0603	0.00037	337	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	263
0701g	4901	1301	0608	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00023	863
0701g	4901	1302	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	820
0701g	4901	1302	0604	0.00150	121	0.00106	200	0.00089	276	0.00284	52
0701g	4901	1303	0201g	0.00000	NA	0.00045	395	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	1304	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	196
0701g	4901	1304	0302	0.00000	NA	0.00044	541	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	1401g	0503	0.00012	703	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	1501	0602	0.00129	132	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	1503	0602	0.00000	NA	0.00996	10	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	4901	1601	0502	0.00006	886	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5001	0701	0201g	0.00009	747	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5101g	0103	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	923
0701g	5101g	1104	0301g	0.00013	661	0.00044	585	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5101g	1301	0603	0.00051	262	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	297
0701g	5101g	1302	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	197
0701g	5101g	1501	0602	0.00000	NA	0.00044	473	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5101g	1501	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	894

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0701g	5201g	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	477	0.00000	NA
0701g	5301	0801	0402	0.00006	1204	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5301	0804	0301g	0.00000	NA	0.00044	496	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5301	0901	0201g	0.00000	NA	0.00087	286	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5301	1303	0302	0.00000	NA	0.00044	753	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5601	0301	0201g	0.00006	1114	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5701	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	353
0701g	5701	0401	0302	0.00006	879	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5701	0402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	666	0.00000	NA
0701g	5701	0701	0303	0.00061	225	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00230	92
0701g	5701	1302	0604	0.00013	676	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5701	1402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	906
0701g	5701	1501	0602	0.00006	1079	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5701	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	914
0701g	5702	0301	0201g	0.00000	NA	0.00045	394	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5702	1101	0301g	0.00006	1041	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5702	1303	0301g	0.00000	NA	0.00044	506	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5702	1304	0301g	0.00000	NA	0.00011	916	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5702	1401g	0503	0.00000	NA	0.00085	311	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5702	1401g	0602	0.00000	NA	0.00011	864	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5703	0101	0501	0.00000	NA	0.00071	328	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5703	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	203
0701g	5703	0302	0402	0.00000	NA	0.00046	391	0.00000	NA	0.00326	50
0701g	5703	0401	0302	0.00000	NA	0.00011	890	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5703	0701	0201g	0.00000	NA	0.00092	215	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5703	0804	0301g	0.00000	NA	0.00044	400	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5703	0804	0602	0.00006	1130	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5703	0901	0201g	0.00000	NA	0.00167	123	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5703	1001	0501	0.00000	NA	0.00051	362	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5703	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	471
0701g	5703	1103	0301g	0.00000	NA	0.00044	747	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5703	1201g	0501	0.00000	NA	0.00089	218	0.00000	NA	0.00093	202
0701g	5703	1302	0604	0.00006	1069	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	604
0701g	5703	1302	0609	0.00000	NA	0.00046	392	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5703	1303	0201g	0.00000	NA	0.00520	31	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5703	1303	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	922
0701g	5703	1303	0609	0.00000	NA	0.00011	910	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5703	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	387
0701g	5703	1401g	0602	0.00006	1044	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5703	1503	0602	0.00000	NA	0.00658	18	0.00000	NA	0.00012	866
0701g	5801g	0101	0504	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	508

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0701g	5801g	0102	0501	0.00000	NA	0.00046	388	0.00000	NA	0.00093	240
0701g	5801g	0301	0201g	0.00012	697	0.00044	603	0.00000	NA	0.00047	751
0701g	5801g	0301	0301g	0.00006	961	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	0401	0301g	0.00000	NA	0.00044	705	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	0404	0302	0.00008	789	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	0405	0302	0.00013	673	0.00044	558	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	0701	0201g	0.00032	363	0.00332	58	0.00000	NA	0.00186	110
0701g	5801g	0804	0301g	0.00000	NA	0.00065	337	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	0804	0402	0.00051	261	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	1001	0501	0.00000	NA	0.00066	332	0.00000	NA	0.00093	273
0701g	5801g	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	564	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	1102	0301g	0.00019	499	0.00145	132	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	1103	0301g	0.00005	1393	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	1301	0303	0.00000	NA	0.00087	276	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	1301	0603	0.00000	NA	0.00044	663	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	1302	0501	0.00000	NA	0.00044	565	0.00000	NA	0.00047	406
0701g	5801g	1302	0604	0.00020	480	0.00044	457	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	1302	0609	0.00076	198	0.00087	232	0.00000	NA	0.00093	274
0701g	5801g	1303	0301g	0.00057	237	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	1304	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	260
0701g	5801g	1501	0602	0.00006	1378	0.00044	512	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	1502	0601	0.00006	949	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0701g	5801g	1503	0602	0.00000	NA	0.00956	12	0.00000	NA	0.00233	75
0701g	5801g	1601	0502	0.00006	1281	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	0101	0501	0.00979	14	0.00335	57	0.00744	19	0.00372	38
0702	0702g	0102	0501	0.00007	811	0.00257	76	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	0103	0301g	0.00036	342	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	0103	0501	0.00124	136	0.00087	308	0.00000	NA	0.00093	286
0702	0702g	0301	0201g	0.00287	51	0.00316	61	0.00089	283	0.00000	NA
0702	0702g	0401	0301g	0.00329	45	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00065	334
0702	0702g	0401	0302	0.00340	43	0.00087	300	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	0401	0303	0.00006	1023	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	0402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	198	0.00000	NA
0702	0702g	0403	0302	0.00018	528	0.00000	NA	0.00089	213	0.00047	558
0702	0702g	0404	0302	0.00388	37	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	504
0702	0702g	0405	0302	0.00006	844	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	252
0702	0702g	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	581	0.00000	NA
0702	0702g	0407	0301g	0.00142	124	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	0408	0301g	0.00022	466	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	0701	0201g	0.00459	31	0.00000	NA	0.00129	175	0.00234	73
0702	0702g	0701	0303	0.00202	82	0.00044	714	0.00000	NA	0.00140	158

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0702	0702g	0801	0402	0.00241	65	0.00000	NA	0.00044	629	0.00048	361
0702	0702g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	563	0.00000	NA
0702	0702g	0803	0301g	0.00018	527	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	0804	0301g	0.00000	NA	0.00127	182	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	0804	0402	0.00006	1015	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00585	24	0.00000	NA	0.00093	232
0702	0702g	0901	0303	0.00080	189	0.00044	497	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1001	0501	0.00022	455	0.00046	385	0.00081	307	0.00093	290
0702	0702g	1101	0301g	0.00375	39	0.00044	398	0.00000	NA	0.00102	182
0702	0702g	1101	0502	0.00000	NA	0.00044	429	0.00000	NA	0.00047	476
0702	0702g	1101	0602	0.00000	NA	0.00136	141	0.00000	NA	0.00093	227
0702	0702g	1102	0201g	0.00000	NA	0.00044	498	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00386	45	0.00000	NA	0.00140	139
0702	0702g	1104	0301g	0.00108	156	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1201g	0301g	0.00192	91	0.00000	NA	0.00133	171	0.00000	NA
0702	0702g	1201g	0501	0.00000	NA	0.00088	221	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1301	0602	0.00006	1145	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1301	0603	0.00548	27	0.00061	345	0.00109	184	0.00170	122
0702	0702g	1302	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	594
0702	0702g	1302	0604	0.00246	63	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1302	0609	0.00013	584	0.00097	209	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1303	0301g	0.00022	456	0.00049	370	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1304	0301g	0.00000	NA	0.00044	408	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1305	0301g	0.00007	828	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1316	0604	0.00000	NA	0.00044	727	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1331	0502	0.00000	NA	0.00044	706	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1401g	0501	0.00000	NA	0.00052	358	0.00000	NA	0.00047	824
0702	0702g	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00048	346	0.00000	NA
0702	0702g	1401g	0503	0.00302	47	0.00302	66	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1401g	0602	0.00000	NA	0.00044	818	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00063	321	0.00000	NA
0702	0702g	1501	0301g	0.00006	1253	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	655	0.00000	NA
0702	0702g	1501	0602	0.08091	2	0.01696	3	0.00389	38	0.02635	1
0702	0702g	1501	0603	0.00081	188	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	490
0702	0702g	1501	0604	0.00013	618	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0702g	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00260	66	0.00000	NA
0702	0702g	1503	0602	0.00006	956	0.01167	8	0.00000	NA	0.00233	88
0702	0702g	1601	0502	0.00053	249	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	256
0702	0702g	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	571	0.00000	NA
0702	0704	0401	0301g	0.00005	1396	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0702	0704	0404	0302	0.00006	1110	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0704	0701	0201g	0.00001	1465	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0704	1501	0602	0.00032	364	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0705g	0101	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	570	0.00000	NA
0702	0705g	0102	0501	0.00000	NA	0.00087	240	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0705g	0405	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	700	0.00000	NA
0702	0705g	0804	0203	0.00000	NA	0.00044	728	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0705g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00044	521	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0705g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00083	305	0.00000	NA
0702	0705g	1101	0502	0.00000	NA	0.00034	848	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0705g	1101	0611	0.00000	NA	0.00044	661	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0705g	1106	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	694	0.00000	NA
0702	0705g	1301	0603	0.00000	NA	0.00131	173	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0705g	1302	0609	0.00000	NA	0.00087	291	0.00000	NA	0.00047	629
0702	0705g	1401g	0503	0.00000	NA	0.00087	230	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0705g	1501	0502	0.00000	NA	0.00044	554	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0705g	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00213	85	0.00000	NA
0702	0705g	1501	0602	0.00006	1040	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0705g	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00193	93	0.00000	NA
0702	0705g	1503	0602	0.00000	NA	0.00053	356	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0710	0301	0201g	0.00006	1116	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0710	0403	0304	0.00006	1100	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0710	0701	0201g	0.00006	1046	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0721	1501	0602	0.00006	1053	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0801g	0301	0201g	0.00051	259	0.00049	367	0.01191	9	0.00186	111
0702	0801g	0701	0201g	0.00006	1259	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0801g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00047	384	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0801g	1101	0301g	0.00013	633	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0801g	1103	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	381
0702	0801g	1301	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	160	0.00000	NA
0702	0801g	1303	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	157
0702	0801g	1401g	0503	0.00006	990	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	0801g	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	760	0.00000	NA
0702	0801g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	686	0.00000	NA
0702	0801g	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	483	0.00000	NA
0702	0812	1102	0301g	0.00000	NA	0.00087	265	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	1301	1502	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	580	0.00000	NA
0702	1402	0804	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	921
0702	1402	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	892
0702	1501g	0101	0501	0.00021	473	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	1501g	0401	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	770	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0702	1501g	0404	0302	0.00006	1188	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	1501g	0407	0301g	0.00005	1407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	1501g	0801	0402	0.00006	1342	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	1501g	1302	0602	0.00006	910	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	1501g	1501	0602	0.00007	833	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	1502	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	516	0.00000	NA
0702	1504	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	304
0702	1517	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	903
0702	1517	1503	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	956
0702	1525	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	609	0.00000	NA
0702	1535	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	660	0.00000	NA
0702	1535	0405	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00200	90	0.00000	NA
0702	1535	1101	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	565	0.00000	NA
0702	1535	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00022	836	0.00000	NA
0702	1535	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00022	833	0.00000	NA
0702	1535	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	379	0.00000	NA
0702	1535	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	510	0.00000	NA
0702	1535	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	400	0.00000	NA
0702	1535	1514	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	536	0.00000	NA
0702	1801g	1104	0301g	0.00006	1314	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	1801g	1401g	0501	0.00000	NA	0.00044	503	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	1801g	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	681	0.00000	NA
0702	1801g	1503	0602	0.00000	NA	0.00044	733	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	2702	1303	0301g	0.00006	970	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	2705g	0101	0501	0.00006	1049	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	2705g	0701	0303	0.00006	1340	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	2705g	1302	0604	0.00006	968	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	2705g	1501	0602	0.00007	835	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	2706	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	480	0.00000	NA
0702	3501g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	858
0702	3501g	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00115	176
0702	3501g	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	855	0.00000	NA
0702	3501g	0411	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	574
0702	3501g	0801	0402	0.00006	1223	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3501g	1401g	0503	0.00006	894	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3501g	1403	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	864	0.00000	NA
0702	3503	0404	0302	0.00006	1293	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3503	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	571
0702	3520	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	456
0702	3701	1101	0301g	0.00006	1102	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3801	1301	0603	0.00006	1219	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0702	3802	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00199	91	0.00000	NA
0702	3802	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00067	318	0.00000	NA
0702	3802	0803	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	421	0.00000	NA
0702	3802	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00436	32	0.00000	NA
0702	3802	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00409	34	0.00000	NA
0702	3802	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00088	298	0.00000	NA
0702	3802	1101	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	455	0.00000	NA
0702	3802	1106	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00099	186	0.00000	NA
0702	3802	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	693	0.00000	NA
0702	3802	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00248	70	0.00000	NA
0702	3802	1312	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	381	0.00000	NA
0702	3802	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	133	0.00000	NA
0702	3802	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00020	838	0.00000	NA
0702	3802	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	193	0.00000	NA
0702	3802	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00518	29	0.00000	NA
0702	3802	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00876	14	0.00000	NA
0702	3802	1504	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	632	0.00000	NA
0702	3802	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00490	30	0.00000	NA
0702	3901g	0101	0501	0.00061	223	0.00000	NA	0.00089	217	0.00000	NA
0702	3901g	0401	0301g	0.00007	822	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3901g	0404	0302	0.00016	541	0.00000	NA	0.00044	659	0.00000	NA
0702	3901g	0405	0302	0.00000	NA	0.00044	737	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3901g	0407	0302	0.00006	971	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3901g	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	901	0.00000	NA
0702	3901g	0701	0201g	0.00016	546	0.00000	NA	0.00044	744	0.00000	NA
0702	3901g	0701	0303	0.00006	843	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3901g	0801	0402	0.00086	184	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	645
0702	3901g	0802	0402	0.00006	1028	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	231
0702	3901g	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00400	35	0.00000	NA
0702	3901g	0811	0402	0.00006	1030	0.00044	622	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3901g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	157	0.00000	NA
0702	3901g	1101	0301g	0.00014	567	0.00000	NA	0.00133	155	0.00000	NA
0702	3901g	1201g	0301g	0.00009	751	0.00000	NA	0.00044	548	0.00047	440
0702	3901g	1301	0603	0.00022	464	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3901g	1401g	0503	0.00015	559	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	603
0702	3901g	1403	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	846	0.00000	NA
0702	3901g	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	237	0.00000	NA
0702	3901g	1501	0602	0.00026	409	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	723
0702	3901g	1601	0502	0.00006	1324	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3901g	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	302
0702	3901g	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	786	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0702	3902	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	545
0702	3903	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	602
0702	3905	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	151
0702	3905	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	525	0.00000	NA
0702	3905	0406	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	822
0702	3905	0407	0302	0.00013	653	0.00000	NA	0.00000	NA	0.01484	5
0702	3905	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	957
0702	3905	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	661
0702	3905	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	798
0702	3905	1302	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	910
0702	3905	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	262	0.00000	NA
0702	3906	0101	0501	0.00043	305	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3906	0103	0501	0.00005	1392	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3906	0301	0201g	0.00006	1062	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3906	0401	0302	0.00008	770	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3906	0401	0305	0.00006	1074	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3906	0403	0302	0.00006	1139	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3906	0404	0302	0.00006	854	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00279	55
0702	3906	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00230	90
0702	3906	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	237
0702	3906	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	395
0702	3906	0701	0201g	0.00025	435	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3906	0701	0303	0.00019	509	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3906	0801	0301g	0.00006	1112	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3906	0801	0402	0.00164	110	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	247
0702	3906	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00098	185
0702	3906	1101	0301g	0.00027	398	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	469
0702	3906	1301	0501	0.00000	NA	0.00044	471	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3906	1301	0603	0.00041	318	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3906	1302	0609	0.00005	1387	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3906	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00832	11
0702	3906	1501	0602	0.00075	202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	3906	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00049	355
0702	3908	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	484
0702	3908	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	396
0702	3908	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00186	108
0702	3909	0411	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	832
0702	3909	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	223	0.00000	NA
0702	3911	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	883
0702	3911	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	491
0702	3911	1503	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	890

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0702	3911	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	685
0702	3913	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	637
0702	3914	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	667
0702	4001g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	236	0.00000	NA
0702	4001g	0404	0302	0.00013	634	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	4001g	0405	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	546	0.00000	NA
0702	4001g	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00205	88	0.00000	NA
0702	4001g	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	651	0.00000	NA
0702	4001g	0701	0201g	0.00006	875	0.00000	NA	0.00089	295	0.00000	NA
0702	4001g	0801	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	896	0.00000	NA
0702	4001g	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00448	31	0.00000	NA
0702	4001g	0809	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00222	81	0.00000	NA
0702	4001g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00760	16	0.00000	NA
0702	4001g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	218	0.00000	NA
0702	4001g	1201g	0301g	0.00006	991	0.00000	NA	0.00222	74	0.00000	NA
0702	4001g	1201g	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	759	0.00000	NA
0702	4001g	1201g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	860	0.00000	NA
0702	4001g	1202	0301g	0.00000	NA	0.00044	567	0.00179	98	0.00000	NA
0702	4001g	1302	0604	0.00006	1320	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	4001g	1302	0609	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	470	0.00000	NA
0702	4001g	1312	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00124	181	0.00000	NA
0702	4001g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	244	0.00000	NA
0702	4001g	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	839	0.00000	NA
0702	4001g	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00222	77	0.00000	NA
0702	4001g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	559	0.00000	NA
0702	4001g	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	210	0.00000	NA
0702	4001g	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00138	128	0.00000	NA
0702	4002g	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	446	0.00000	NA
0702	4005	0804	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	946
0702	4005	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	896
0702	4006	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	820	0.00000	NA
0702	4201	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	768	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	4402g	1201g	0301g	0.00006	1244	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	4403	0101	0501	0.00006	1021	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	4403	0401	0301g	0.00006	1076	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	4403	0701	0201g	0.00006	938	0.00000	NA	0.00045	742	0.00000	NA
0702	4403	1503	0602	0.00000	NA	0.00043	758	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	4601	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	777	0.00000	NA
0702	4701	0701	0201g	0.00006	997	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	4901	0901	0201g	0.00000	NA	0.00035	846	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	4901	1102	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	376

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0702	5101g	0101	0501	0.00006	1256	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	5101g	0403	0305	0.00006	1158	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	5101g	0404	0302	0.00030	388	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	5101g	0701	0201g	0.00006	880	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	5101g	1301	0603	0.00014	565	0.00000	NA	0.00044	574	0.00000	NA
0702	5101g	1401g	0503	0.00006	907	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	5101g	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	611	0.00000	NA
0702	5102	0801	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	871	0.00000	NA
0702	5102	1201g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	909	0.00000	NA
0702	5107	1101	0301g	0.00006	1240	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	5201g	0405	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	224	0.00000	NA
0702	5201g	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	486
0702	5201g	1101	0301g	0.00006	1194	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	5201g	1303	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	675
0702	5201g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	444	0.00000	NA
0702	5201g	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	743	0.00000	NA
0702	5401	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	771	0.00000	NA
0702	5401	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	472	0.00000	NA
0702	5501	1001	0501	0.00006	1001	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	5501	1302	0604	0.00006	1310	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	5502	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	466	0.00000	NA
0702	5502	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	294	0.00000	NA
0702	5601	0101	0501	0.00025	420	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	5601	0405	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	449	0.00000	NA
0702	5601	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	231	0.00000	NA
0702	5701	0701	0303	0.00006	1195	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	5801g	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	891
0702	5801g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00044	621	0.00000	NA	0.00000	NA
0702	5801g	1302	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	960
0702	6701	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	497	0.00000	NA
0702	6701	0802	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	555	0.00000	NA
0702	6701	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	647	0.00000	NA
0702	6701	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	167	0.00000	NA
0702	8101g	1301	0603	0.00000	NA	0.00044	736	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	0702g	1101	0301g	0.00006	1095	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	0705g	1104	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	936
0704g	0705g	1501	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	948
0704g	0801g	1302	0609	0.00000	NA	0.00044	427	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	1501g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00044	629	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	1501g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	215
0704g	1501g	1104	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	902

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0704g	1501g	1501	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	888
0704g	1501g	1601	0502	0.00006	1199	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	1501g	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	542	0.00000	NA
0704g	1503g	0103	0501	0.00006	1071	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	1503g	1201g	0501	0.00000	NA	0.00011	897	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	1503g	1301	0603	0.00000	NA	0.00011	904	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	1518	0101	0501	0.00007	812	0.00000	NA	0.00011	878	0.00093	249
0704g	1518	0301	0201g	0.00010	731	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	1518	0401	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00178	102	0.00000	NA
0704g	1518	0401	0302	0.00025	432	0.00000	NA	0.00044	514	0.00000	NA
0704g	1518	0402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	761
0704g	1518	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00066	320	0.00000	NA
0704g	1518	0404	0302	0.00009	749	0.00044	775	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	1518	0405	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00055	343
0704g	1518	0801	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	848
0704g	1518	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	520	0.00000	NA
0704g	1518	0901	0303	0.00000	NA	0.00044	596	0.00048	344	0.00000	NA
0704g	1518	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	807	0.00000	NA
0704g	1518	1101	0301g	0.00009	756	0.00000	NA	0.00067	317	0.00038	854
0704g	1518	1103	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	679
0704g	1518	1106	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	679	0.00000	NA
0704g	1518	1201g	0301g	0.00006	1333	0.00000	NA	0.00041	824	0.00000	NA
0704g	1518	1201g	0501	0.00000	NA	0.00011	905	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	1518	1301	0603	0.00032	371	0.00011	900	0.00044	411	0.00000	NA
0704g	1518	1302	0604	0.00010	742	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	1518	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	899	0.00000	NA
0704g	1518	1501	0602	0.00007	832	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00095	192
0704g	1529	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	424	0.00000	NA
0704g	1529	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	620	0.00000	NA
0704g	1801g	0101	0501	0.00000	NA	0.00044	745	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	1801g	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	536	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	1801g	1101	0602	0.00000	NA	0.00131	159	0.00000	NA	0.00047	454
0704g	1801g	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	248	0.00000	NA
0704g	1801g	1202	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	601	0.00000	NA
0704g	1801g	1301	0501	0.00000	NA	0.00044	796	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	1801g	1303	0201g	0.00000	NA	0.00087	242	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	1801g	1502	0501	0.00000	NA	0.00044	444	0.00044	550	0.00000	NA
0704g	1802	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	425	0.00000	NA
0704g	1802	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	354	0.00000	NA
0704g	1802	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	822	0.00000	NA
0704g	2705g	0801	0402	0.00006	975	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0704g	2705g	1104	0301g	0.00006	1329	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	2705g	1501	0602	0.00006	878	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	3501g	0801	0402	0.00006	1055	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	3501g	1601	0502	0.00006	937	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4002g	1104	0301g	0.00006	1123	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4023	0101	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	874	0.00000	NA
0704g	4023	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	870	0.00000	NA
0704g	4402g	0101	0501	0.00120	142	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	809
0704g	4402g	0101	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	635
0704g	4402g	0301	0201g	0.00017	531	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	0401	0301g	0.00031	378	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	0401	0302	0.00015	560	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	0403	0302	0.00005	1390	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	0407	0301g	0.00009	748	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	0408	0301g	0.00006	1016	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	0701	0201g	0.00007	795	0.00000	NA	0.00044	564	0.00093	200
0704g	4402g	0701	0303	0.00016	551	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	0901	0303	0.00006	1322	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	523
0704g	4402g	1101	0301g	0.00414	34	0.00174	115	0.00000	NA	0.00093	258
0704g	4402g	1101	0302	0.00006	959	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00044	420	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	1103	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	713
0704g	4402g	1301	0603	0.00014	569	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	1302	0604	0.00100	168	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	1303	0201g	0.00000	NA	0.00044	607	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	1303	0301g	0.00007	842	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	1401g	0503	0.00011	721	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	1501	0602	0.00056	240	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	1501	0604	0.00000	NA	0.00044	468	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	4402g	1601	0502	0.00099	169	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	314
0704g	4803	0801	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	563
0704g	5101g	0101	0501	0.00006	1189	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704g	5101g	0102	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	628
0705	3501g	0101	0501	0.00000	NA	0.00044	822	0.00000	NA	0.00000	NA
0705	3501g	0302	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	403
0705	5301	1102	0301g	0.00000	NA	0.00044	514	0.00000	NA	0.00000	NA
0707	0801g	0301	0201g	0.00006	992	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0709	4901	0801	0402	0.00006	1163	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0710	0702g	1501	0602	0.00006	969	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0712	4402g	1302	0604	0.00006	1037	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0717	3908	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	769

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0726	1525	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	568	0.00000	NA
0727	1535	0405	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00076	311	0.00000	NA
0727	1535	1101	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	511	0.00000	NA
0727	3802	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00058	324	0.00000	NA
0735	4901	1101	0301g	0.00000	NA	0.00131	155	0.00000	NA	0.00000	NA
0801	1301	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	676	0.00000	NA
0801	1501g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	667	0.00000	NA
0801	1501g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	607	0.00000	NA
0801	1502	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	615	0.00000	NA
0801	1502	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00051	337	0.00000	NA
0801	1502	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00046	351	0.00000	NA
0801	1502	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00046	352	0.00000	NA
0801	1502	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00352	46	0.00000	NA
0801	1502	1202	0301g	0.00000	NA	0.00131	160	0.02287	3	0.00000	NA
0801	1502	1312	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	258	0.00000	NA
0801	1502	1312	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	644	0.00000	NA
0801	1502	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00114	182	0.00000	NA
0801	1502	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	360	0.00000	NA
0801	1502	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00429	33	0.00000	NA
0801	1502	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00053	330	0.00000	NA
0801	1502	1507	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	755	0.00000	NA
0801	1513	1001	0501	0.00000	NA	0.00044	791	0.00000	NA	0.00000	NA
0801	1513	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	255	0.00000	NA
0801	1513	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	136	0.00000	NA
0801	1515	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	842
0801	1518	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00087	301	0.00000	NA
0801	1518	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00222	78	0.00000	NA
0801	1518	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00046	349	0.00000	NA
0801	1535	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00022	835	0.00000	NA
0801	1535	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00022	834	0.00000	NA
0801	2704	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	415	0.00000	NA
0801	2705g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	622
0801	3501g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00128	176	0.00000	NA
0801	3501g	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	723	0.00000	NA
0801	3501g	0802	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	383	0.00000	NA
0801	3501g	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00049	341	0.00000	NA
0801	3501g	1201g	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	261	0.00000	NA
0801	3802	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	792	0.00000	NA
0801	4001g	0809	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	596	0.00000	NA
0801	4002g	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	649	0.00000	NA
0801	4006	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	778	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0801	4006	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00164	114	0.00000	NA
0801	4006	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00009	913	0.00000	NA
0801	4006	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00138	129	0.00000	NA
0801	4006	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00752	18	0.00000	NA
0801	4006	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	347	0.00000	NA
0801	4006	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	359	0.00000	NA
0801	4006	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	403	0.00000	NA
0801	4402g	0802	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	427	0.00000	NA
0801	4601	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	502	0.00000	NA
0801	4801g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	441	0.00000	NA
0801	4801g	0404	0302	0.00006	1136	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00762	12
0801	4801g	0405	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	808	0.00000	NA
0801	4801g	0405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	447	0.00000	NA
0801	4801g	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00052	346
0801	4801g	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	598
0801	4801g	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	377
0801	4801g	0701	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	817	0.00000	NA
0801	4801g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00318	51
0801	4801g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00191	96	0.00000	NA
0801	4801g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00267	64	0.00000	NA
0801	4801g	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00222	76	0.00000	NA
0801	4801g	1201g	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	260	0.00000	NA
0801	4801g	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00094	192	0.00000	NA
0801	4801g	1303	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	813
0801	4801g	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00129	174	0.00000	NA
0801	4801g	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00040	825	0.00000	NA
0801	4801g	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00261	66
0801	4801g	1402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	909
0801	4801g	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00095	193
0801	4801g	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	704	0.00000	NA
0801	4801g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	156	0.00000	NA
0801	4801g	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00125	180	0.00000	NA
0801	4801g	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	933
0801	4801g	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	835
0801	4801g	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	517	0.00000	NA
0801	4803	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	137	0.00000	NA
0801	4803	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	462
0801	4803	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	756	0.00000	NA
0801	4804	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	468	0.00000	NA
0801	4804	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	674	0.00000	NA
0801	5101g	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	564

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0801	5101g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	142
0801	5101g	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	521
0801	5102	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	808
0801	5102	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	270
0801	5102	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	531
0801	5102	1402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	712
0801	5102	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	242
0801	5401	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	669	0.00000	NA
0801	5401	1501	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	527	0.00000	NA
0801	5502	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	471	0.00000	NA
0801	5701	1402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	953
0801	5701	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	873
0802	1401	0101	0501	0.00008	771	0.00087	296	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1401	0102	0501	0.00025	421	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1401	0301	0201g	0.00006	1381	0.00044	555	0.00000	NA	0.00047	771
0802	1401	0401	0301g	0.00024	446	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1401	0401	0302	0.00000	1474	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1401	0404	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	291	0.00000	NA
0802	1401	0405	0302	0.00013	667	0.00087	246	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1401	0701	0201g	0.00674	23	0.00476	36	0.00000	NA	0.00651	18
0802	1401	0701	0303	0.00016	542	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	288
0802	1401	0802	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	406	0.00000	NA
0802	1401	1101	0301g	0.00000	NA	0.00046	390	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1401	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	416	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1401	1102	0301g	0.00000	NA	0.00044	545	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1401	1104	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	550
0802	1401	1201g	0301g	0.00007	831	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1401	1301	0603	0.00005	1384	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1401	1303	0301g	0.00013	674	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1401	1401g	0503	0.00006	887	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1401	1501	0602	0.00035	348	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	549
0802	1402	0101	0501	0.00032	365	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	453
0802	1402	0102	0501	0.01444	9	0.00355	51	0.00000	NA	0.01894	4
0802	1402	0102	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	534
0802	1402	0301	0201g	0.00203	79	0.00157	125	0.00000	NA	0.00245	68
0802	1402	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	660	0.00000	NA	0.00047	474
0802	1402	0401	0301g	0.00019	492	0.00000	NA	0.00044	819	0.00140	141
0802	1402	0401	0302	0.00027	401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1402	0402	0302	0.00008	782	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1402	0404	0302	0.00019	506	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1402	0405	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	849

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0802	1402	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	387	0.00000	NA
0802	1402	0406	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	488
0802	1402	0701	0201g	0.00196	86	0.00497	33	0.00000	NA	0.00101	184
0802	1402	0701	0303	0.00028	395	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00033	855
0802	1402	0801	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	678
0802	1402	0804	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	878
0802	1402	0806	0602	0.00006	1266	0.00044	635	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1402	0901	0201g	0.00000	NA	0.00044	425	0.00000	NA	0.00047	535
0802	1402	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00061	336
0802	1402	1101	0201g	0.00000	NA	0.00044	743	0.00000	NA	0.00047	833
0802	1402	1101	0301g	0.00016	552	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00096	187
0802	1402	1102	0301g	0.00006	1318	0.00046	389	0.00000	NA	0.00093	265
0802	1402	1103	0301g	0.00006	987	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	695
0802	1402	1104	0301g	0.00012	685	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1402	1201g	0301g	0.00025	416	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1402	1201g	0501	0.00000	NA	0.00044	744	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1402	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	695	0.00000	NA
0802	1402	1301	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	479
0802	1402	1301	0603	0.00020	486	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1402	1302	0502	0.00000	NA	0.00044	721	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1402	1302	0604	0.00004	1422	0.00050	364	0.00000	NA	0.00142	131
0802	1402	1302	0609	0.00369	40	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1402	1303	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	527
0802	1402	1303	0301g	0.00386	38	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00186	104
0802	1402	1401g	0501	0.00000	NA	0.00048	372	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1402	1401g	0503	0.00009	763	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1402	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	930
0802	1402	1501	0602	0.00195	88	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00279	58
0802	1402	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	230
0802	1402	1503	0602	0.00000	NA	0.00457	38	0.00000	NA	0.00081	328
0802	1402	1601	0502	0.00007	808	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1402	1602	0502	0.00000	NA	0.00087	298	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1403	0302	0402	0.00000	NA	0.00218	88	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1403	0901	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	246
0802	1403	1001	0501	0.00000	NA	0.00044	447	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	1406	0102	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	804
0802	1801g	0301	0201g	0.00006	983	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	3501g	1301	0303	0.00000	NA	0.00044	440	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	4005	0804	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	917
0802	4005	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	950
0802	4016	0806	0301g	0.00000	NA	0.00044	431	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0802	4016	1102	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	643
0802	4101	0101	0501	0.00000	NA	0.00044	450	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	5301	0701	0201g	0.00000	NA	0.00044	523	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	5301	1301	0603	0.00000	NA	0.00044	675	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	5301	1302	0501	0.00000	NA	0.00087	257	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	5301	1302	0502	0.00000	NA	0.00044	774	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	5703	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	700	0.00000	NA	0.00000	NA
0802	5801g	0804	0301g	0.00000	NA	0.00044	792	0.00000	NA	0.00000	NA
0803	3905	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	634
0803	4801g	0403	0304	0.00019	504	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0803	4801g	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	480
0803	4801g	0405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	518	0.00000	NA
0803	4801g	0411	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	748
0803	4801g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	257	0.00000	NA
0803	4801g	1101	0301g	0.00025	428	0.00000	NA	0.00089	245	0.00000	NA
0803	4801g	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	666
0803	4801g	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	287
0803	4801g	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	475	0.00000	NA
0803	4801g	1501	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	293	0.00000	NA
0803	4804	1301	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	730	0.00000	NA
0803	5102	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	587
0803	5502	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	533	0.00000	NA
0804	0705g	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	557	0.00000	NA	0.00000	NA
0804	1302	1001	0501	0.00000	NA	0.00044	770	0.00000	NA	0.00000	NA
0804	1302	1302	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	569
0804	1401	1303	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	949
0804	1401	1503	0602	0.00000	NA	0.00087	283	0.00000	NA	0.00012	935
0804	1510	0101	0501	0.00000	NA	0.00044	763	0.00000	NA	0.00000	NA
0804	1510	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	577	0.00000	NA	0.00000	NA
0804	1510	1104	0502	0.00000	NA	0.00131	163	0.00000	NA	0.00000	NA
0804	1510	1301	0609	0.00000	NA	0.00044	534	0.00000	NA	0.00000	NA
0804	5703	1303	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	874
0804	5703	1503	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	916
0804	8101g	0102	0501	0.00000	NA	0.00044	428	0.00000	NA	0.00000	NA
0804	8101g	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	831
0804	8101g	0804	0402	0.00000	NA	0.00044	809	0.00000	NA	0.00000	NA
0804	8101g	1201g	0501	0.00000	NA	0.00566	26	0.00000	NA	0.00000	NA
0804	8101g	1302	0609	0.00000	NA	0.00041	839	0.00000	NA	0.00000	NA
0804	8101g	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	427
0804	8101g	1503	0602	0.00000	NA	0.00046	387	0.00000	NA	0.00000	NA
0804	8101g	1602	0502	0.00000	NA	0.00044	767	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1202	1301	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	370	0.00000	NA
1202	1801g	0101	0501	0.00006	1063	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1202	2704	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00061	323	0.00000	NA
1202	2704	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	487	0.00000	NA
1202	2704	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	804	0.00000	NA
1202	2704	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00206	87	0.00000	NA
1202	2704	1302	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	500	0.00000	NA
1202	2704	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	800	0.00000	NA
1202	2704	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	531	0.00000	NA
1202	2704	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	159	0.00000	NA
1202	2704	1418	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	815	0.00000	NA
1202	2720	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	628	0.00000	NA
1202	3503	0401	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	862	0.00000	NA
1202	3503	0703	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	906	0.00000	NA
1202	4001g	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	767	0.00000	NA
1202	4001g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	685	0.00000	NA
1202	4001g	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	698	0.00000	NA
1202	4002g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	805	0.00000	NA
1202	4006	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00080	308	0.00000	NA
1202	4006	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	478	0.00000	NA
1202	4006	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00054	327	0.00000	NA
1202	4801g	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	762	0.00000	NA
1202	5108	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	857	0.00000	NA
1202	5108	0901	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	866	0.00000	NA
1202	5201g	0101	0501	0.00054	243	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1202	5201g	0103	0501	0.00006	1230	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1202	5201g	0301	0201g	0.00019	514	0.00000	NA	0.00044	490	0.00000	NA
1202	5201g	0401	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	768
1202	5201g	0401	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	867	0.00000	NA
1202	5201g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00337	49	0.00000	NA
1202	5201g	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00088	299	0.00000	NA
1202	5201g	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	235	0.00000	NA
1202	5201g	0701	0201g	0.00006	1341	0.00000	NA	0.00111	183	0.00000	NA
1202	5201g	0701	0303	0.00005	1388	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1202	5201g	0703	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	848	0.00000	NA
1202	5201g	0801	0402	0.00006	1096	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1202	5201g	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	701	0.00000	NA
1202	5201g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	207	0.00000	NA
1202	5201g	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00141	124	0.00000	NA
1202	5201g	1101	0301g	0.00014	566	0.00000	NA	0.00136	130	0.00000	NA
1202	5201g	1104	0301g	0.00045	287	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1202	5201g	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00135	132	0.00000	NA
1202	5201g	1301	0603	0.00008	774	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1202	5201g	1302	0609	0.00038	333	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1202	5201g	1303	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	586
1202	5201g	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	416	0.00000	NA
1202	5201g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	168	0.00000	NA
1202	5201g	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	522	0.00000	NA
1202	5201g	1501	0602	0.00005	1398	0.00000	NA	0.00044	476	0.00047	709
1202	5201g	1502	0601	0.00705	20	0.00131	150	0.02119	4	0.01070	8
1202	5201g	1502	0602	0.00006	1261	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1202	5201g	1601	0502	0.00008	769	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1202	5201g	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	608	0.00000	NA
1202	5301	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	872	0.00000	NA
1202	5301	0901	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	892	0.00000	NA
1202	5601	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	716	0.00000	NA
1202	5801g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	508	0.00000	NA
1203	0702g	0101	0501	0.00006	849	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	0702g	0401	0302	0.00013	681	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	0702g	0403	0302	0.00006	978	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	0702g	0404	0402	0.00006	1272	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	0702g	1201g	0301g	0.00006	1319	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	0702g	1501	0502	0.00006	1185	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	714
1203	0702g	1501	0602	0.00000	1478	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	0705g	1401g	0503	0.00006	917	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	0801g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	584
1203	0801g	1104	0301g	0.00006	1264	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1302	0701	0201g	0.00007	817	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1501g	1104	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	590	0.00000	NA
1203	1501g	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	619	0.00000	NA
1203	1501g	1601	0502	0.00006	890	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1503g	0401	0302	0.00006	1039	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1503g	0701	0201g	0.00006	1268	0.00087	237	0.00000	NA	0.00093	199
1203	1503g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	208
1203	1503g	1201g	0501	0.00000	NA	0.00011	886	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1503g	1301	0501	0.00000	NA	0.00044	681	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1503g	1301	0603	0.00000	NA	0.00011	868	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1503g	1301	0604	0.00000	NA	0.00044	415	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1503g	1303	0301g	0.00006	939	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1517	1201g	0301g	0.00006	1316	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1518	1201g	0501	0.00000	NA	0.00011	902	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1518	1301	0603	0.00000	NA	0.00011	918	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1203	1801g	0101	0501	0.00107	159	0.00044	738	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1801g	0301	0201g	0.00018	522	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1801g	0301	0301g	0.00006	1092	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1801g	0401	0302	0.00111	153	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1801g	0403	0302	0.00012	706	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1801g	0403	0305	0.00008	768	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1801g	0404	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	802
1203	1801g	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	739
1203	1801g	0701	0201g	0.00103	163	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	279
1203	1801g	0701	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	738
1203	1801g	0801	0402	0.00001	1466	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1801g	0901	0303	0.00009	754	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1801g	1101	0301g	0.00121	141	0.00000	NA	0.00044	821	0.00000	NA
1203	1801g	1101	0502	0.00006	1064	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1801g	1104	0301g	0.00241	66	0.00044	518	0.00133	173	0.00185	118
1203	1801g	1201g	0301g	0.00026	408	0.00044	748	0.00000	NA	0.00062	337
1203	1801g	1301	0603	0.00042	313	0.00000	NA	0.00044	503	0.00048	367
1203	1801g	1302	0604	0.00022	465	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	211
1203	1801g	1303	0301g	0.00013	603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1801g	1401g	0503	0.00016	550	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1801g	1407	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	445
1203	1801g	1501	0502	0.00006	1047	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1801g	1501	0602	0.00638	25	0.00348	52	0.00000	NA	0.00450	32
1203	1801g	1501	0603	0.00005	1400	0.00044	784	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1801g	1502	0601	0.00009	762	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1801g	1601	0502	0.00011	724	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1804	1501	0602	0.00006	1038	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	1808	1501	0602	0.00006	1020	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3501g	0101	0501	0.00004	1416	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3501g	1301	0603	0.00004	1412	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3501g	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	637	0.00000	NA
1203	3503	0101	0501	0.00027	406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3503	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	288	0.00000	NA
1203	3503	0401	0302	0.00006	1103	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3503	0404	0302	0.00038	336	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3503	0408	0301g	0.00013	647	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3503	0408	0304	0.00017	532	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	146
1203	3503	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	285
1203	3503	0701	0303	0.00013	675	0.00000	NA	0.00133	147	0.00000	NA
1203	3503	0803	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	448	0.00000	NA
1203	3503	0901	0303	0.00006	1078	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1203	3503	1101	0301g	0.00015	557	0.00000	NA	0.00178	105	0.00047	623
1203	3503	1301	0603	0.00004	1423	0.00000	NA	0.00089	221	0.00000	NA
1203	3503	1302	0501	0.00000	NA	0.00044	463	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3503	1302	0604	0.00012	691	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3503	1401g	0503	0.00138	126	0.00000	NA	0.00267	63	0.00093	289
1203	3503	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	552	0.00000	NA
1203	3503	1418	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	648	0.00000	NA
1203	3503	1501	0502	0.00006	1242	0.00000	NA	0.00044	754	0.00000	NA
1203	3503	1501	0602	0.00026	412	0.00044	697	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3503	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	253	0.00000	NA
1203	3508	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	650	0.00000	NA
1203	3508	0404	0402	0.00006	1067	0.00000	NA	0.00089	243	0.00000	NA
1203	3508	0701	0201g	0.00006	1133	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3508	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	567
1203	3508	1305	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	716
1203	3801	0101	0501	0.00020	489	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00181	121
1203	3801	0102	0501	0.00019	517	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3801	0103	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	792
1203	3801	0301	0201g	0.00012	695	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3801	0401	0301g	0.00013	591	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3801	0401	0302	0.00020	479	0.00000	NA	0.00044	389	0.00000	NA
1203	3801	0401	0303	0.00002	1448	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3801	0402	0302	0.00546	28	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00419	35
1203	3801	0402	0304	0.00002	1455	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3801	0403	0302	0.00006	904	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3801	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	458
1203	3801	0405	0302	0.00000	NA	0.00087	297	0.00000	NA	0.00047	418
1203	3801	0407	0301g	0.00006	884	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3801	0701	0201g	0.00046	283	0.00000	NA	0.00133	141	0.00103	181
1203	3801	0801	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	825
1203	3801	0803	0301g	0.00025	430	0.00000	NA	0.00044	391	0.00000	NA
1203	3801	0803	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	720
1203	3801	1001	0501	0.00014	582	0.00000	NA	0.00044	435	0.00000	NA
1203	3801	1101	0301g	0.00124	137	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	275
1203	3801	1103	0301g	0.00009	761	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3801	1104	0301g	0.00107	157	0.00044	680	0.00000	NA	0.00047	375
1203	3801	1201g	0301g	0.00008	787	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3801	1201g	0501	0.00006	1029	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3801	1301	0603	0.00801	17	0.00044	795	0.00089	242	0.00355	45
1203	3801	1302	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	724
1203	3801	1302	0604	0.00031	377	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1203	3801	1302	0609	0.00063	219	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	662
1203	3801	1401g	0503	0.00161	113	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	161
1203	3801	1407	0503	0.00006	940	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3801	1501	0602	0.00053	252	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00105	180
1203	3801	1501	0603	0.00006	1358	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3801	1601	0502	0.00013	585	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3802	1504	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	506	0.00000	NA
1203	3809	0402	0302	0.00006	1085	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3901g	0101	0501	0.00031	380	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	134
1203	3901g	0301	0201g	0.00012	707	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3901g	0401	0301g	0.00013	590	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3901g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	734
1203	3901g	0403	0304	0.00007	803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3901g	0404	0302	0.00013	595	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3901g	0701	0201g	0.00039	325	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	746
1203	3901g	0801	0402	0.00008	788	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3901g	0901	0303	0.00003	1432	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3901g	1001	0501	0.00006	870	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3901g	1101	0301g	0.00177	98	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	762
1203	3901g	1102	0301g	0.00010	730	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3901g	1104	0301g	0.00007	806	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3901g	1201g	0301g	0.00042	310	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3901g	1301	0603	0.00051	265	0.00044	808	0.00044	696	0.00000	NA
1203	3901g	1303	0301g	0.00006	1360	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3901g	1311	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	424
1203	3901g	1401g	0503	0.00013	678	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3901g	1501	0602	0.00042	309	0.00044	413	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3901g	1601	0502	0.00143	123	0.00087	285	0.00000	NA	0.00233	89
1203	3906	0801	0402	0.00006	984	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3906	1401g	0503	0.00006	1129	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3906	1601	0502	0.00006	1024	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3910	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	673	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3910	0701	0201g	0.00000	NA	0.00170	122	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3910	1001	0501	0.00000	NA	0.00084	314	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3910	1102	0301g	0.00000	NA	0.00069	330	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3910	1301	0609	0.00000	NA	0.00131	164	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3910	1303	0301g	0.00000	NA	0.00047	380	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3910	1304	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	789
1203	3910	1401g	0501	0.00000	NA	0.00044	691	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	3910	1503	0602	0.00000	NA	0.00152	127	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	4001g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00074	313	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1203	4001g	1404	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	806	0.00000	NA
1203	4001g	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	713	0.00000	NA
1203	4001g	1502	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	429	0.00000	NA
1203	4001g	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00148	119	0.00000	NA
1203	4402g	0101	0501	0.00013	654	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	4402g	0401	0301g	0.00006	908	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	4402g	0401	0303	0.00002	1457	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	4402g	0402	0304	0.00002	1458	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	4402g	0403	0304	0.00006	1282	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	4402g	1301	0603	0.00006	1075	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	4402g	1501	0602	0.00008	766	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	4403	0701	0201g	0.00005	1401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	4403	0801	0402	0.00006	913	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	4403	0806	0602	0.00000	NA	0.00044	638	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	4403	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	452
1203	4701	0405	0302	0.00006	1243	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	4901	1101	0301g	0.00019	502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	5001	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	493	0.00000	NA
1203	5001	1302	0609	0.00006	1140	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	5101g	0101	0501	0.00015	558	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	5101g	0402	0302	0.00006	1154	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	5101g	0701	0201g	0.00006	888	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	5101g	1301	0603	0.00005	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	5101g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	590
1203	5501	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	560	0.00000	NA
1203	5502	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	348	0.00000	NA
1203	5502	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00042	823	0.00000	NA
1203	5502	1312	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	249	0.00000	NA
1203	5502	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	526	0.00000	NA
1203	5502	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	803	0.00000	NA
1203	5601	0101	0501	0.00006	1050	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	5701	1301	0603	0.00006	1369	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	6701	0101	0501	0.00006	1148	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1203	6702	1001	0501	0.00000	NA	0.00044	783	0.00000	NA	0.00000	NA
1204	3801	1401g	0503	0.00006	1003	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1204	5106	0701	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00178	106	0.00000	NA
1204	5106	1202	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	290	0.00000	NA
1205	1801g	1101	0301g	0.00013	666	0.00000	NA	0.00044	784	0.00000	NA
1212	1804	1104	0301g	0.00006	1304	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	0801g	0103	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	867
1402	0801g	0403	0305	0.00006	930	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1402	0801g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	941
1402	0801g	1304	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	887
1402	0801g	1501	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	919
1402	1516	0102	0501	0.00006	1184	0.00367	49	0.00000	NA	0.00047	510
1402	1516	0301	0201g	0.00000	NA	0.00088	220	0.00000	NA	0.00047	652
1402	1516	0302	0203	0.00000	NA	0.00087	224	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1516	0302	0402	0.00000	NA	0.00133	147	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1516	0401	0301g	0.00006	1209	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1516	0403	0302	0.00006	1315	0.00044	537	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1516	0701	0201g	0.00006	1026	0.00188	103	0.00000	NA	0.00047	485
1402	1516	0701	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	841
1402	1516	0804	0301g	0.00000	NA	0.00044	701	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1516	0901	0201g	0.00000	NA	0.00087	275	0.00000	NA	0.00012	908
1402	1516	1102	0301g	0.00000	NA	0.00047	381	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1516	1104	0502	0.00000	NA	0.00044	476	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1516	1302	0609	0.00000	NA	0.00044	499	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1516	1303	0301g	0.00006	1087	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	267
1402	1516	1304	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	872
1402	1516	1503	0602	0.00000	NA	0.00133	145	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1516	1602	0502	0.00000	NA	0.00044	475	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1801g	1202	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	852	0.00000	NA
1402	1801g	1503	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	893	0.00000	NA
1402	3501g	1401g	0503	0.00006	1006	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	3503	1301	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	636	0.00000	NA
1402	3701	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	776	0.00000	NA
1402	4001g	0801	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	876	0.00000	NA
1402	4001g	1101	0301g	0.00006	1258	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	4001g	1106	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	764	0.00000	NA
1402	4001g	1201g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	850	0.00000	NA
1402	4001g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	816
1402	4002g	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	375	0.00000	NA
1402	4006	1106	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	610	0.00000	NA
1402	4006	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	285	0.00000	NA
1402	4402g	0401	0302	0.00006	989	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	886
1402	4402g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	938
1402	4402g	1601	0502	0.00006	1220	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	4403	1202	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	891	0.00000	NA
1402	4403	1503	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	869	0.00000	NA
1402	5101g	0101	0501	0.00050	267	0.00000	NA	0.00100	185	0.00140	160
1402	5101g	0103	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	882
1402	5101g	0301	0201g	0.00021	469	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1402	5101g	0401	0301g	0.00020	488	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	5101g	0401	0302	0.00046	282	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	879
1402	5101g	0402	0302	0.00006	858	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	431
1402	5101g	0403	0302	0.00000	1475	0.00000	NA	0.00125	179	0.00000	NA
1402	5101g	0404	0302	0.00021	471	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	5101g	0405	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	676
1402	5101g	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00364	41	0.00000	NA
1402	5101g	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00079	309	0.00000	NA
1402	5101g	0407	0301g	0.00012	705	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	5101g	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	483
1402	5101g	0701	0201g	0.00058	232	0.00000	NA	0.00050	339	0.00187	100
1402	5101g	0701	0303	0.00023	451	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	5101g	0801	0402	0.00165	109	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	315
1402	5101g	0802	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00020	837	0.00000	NA
1402	5101g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	134	0.00047	435
1402	5101g	0803	0301g	0.00044	297	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	5101g	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00279	60	0.00000	NA
1402	5101g	0901	0303	0.00022	454	0.00000	NA	0.00812	15	0.00012	915
1402	5101g	1001	0501	0.00014	572	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	5101g	1101	0301g	0.00170	102	0.00000	NA	0.00225	73	0.00000	NA
1402	5101g	1101	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	595	0.00000	NA
1402	5101g	1103	0301g	0.00017	535	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	5101g	1104	0301g	0.00007	818	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	5101g	1106	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	740	0.00000	NA
1402	5101g	1201g	0301g	0.00008	781	0.00000	NA	0.00307	56	0.00000	NA
1402	5101g	1201g	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	263	0.00000	NA
1402	5101g	1201g	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	154	0.00000	NA
1402	5101g	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00136	131	0.00047	704
1402	5101g	1202	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	658	0.00000	NA
1402	5101g	1301	0603	0.00251	62	0.00000	NA	0.00142	122	0.00138	163
1402	5101g	1301	0604	0.00006	1070	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	5101g	1302	0604	0.00008	785	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	5101g	1302	0609	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	402	0.00000	NA
1402	5101g	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00086	303	0.00000	NA
1402	5101g	1401g	0503	0.00019	493	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	5101g	1403	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00075	312	0.00000	NA
1402	5101g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00218	84	0.00000	NA
1402	5101g	1501	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	544	0.00000	NA
1402	5101g	1501	0502	0.00013	624	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	5101g	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00179	97	0.00000	NA
1402	5101g	1501	0602	0.00037	338	0.00000	NA	0.00225	72	0.00093	272

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1402	5101g	1501	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	958
1402	5101g	1601	0502	0.00029	391	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	5101g	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	142	0.00000	NA
1402	5102	0801	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	889	0.00000	NA
1402	5102	1201g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	894	0.00000	NA
1402	5102	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	148	0.00000	NA
1402	5102	1202	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	398	0.00000	NA
1402	5106	0410	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	404	0.00000	NA
1402	5107	0101	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	408	0.00000	NA
1402	5107	0701	0201g	0.00006	1300	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	5107	1101	0301g	0.00013	650	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	450
1402	5107	1104	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	415
1402	5137	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	624	0.00000	NA
1403	4403	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	199	0.00000	NA
1403	4403	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00051	336	0.00000	NA
1403	4403	0701	0201g	0.00006	1294	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1403	4403	0701	0303	0.00006	953	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1403	4403	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00082	306	0.00000	NA
1403	4403	1101	0301g	0.00000	NA	0.00044	544	0.00000	NA	0.00000	NA
1403	4403	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	730	0.00000	NA	0.00000	NA
1403	4403	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	587	0.00000	NA
1403	4403	1301	0303	0.00000	NA	0.00174	118	0.00000	NA	0.00000	NA
1403	4403	1302	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00711	20	0.00000	NA
1403	4403	1303	0301g	0.00000	NA	0.00044	548	0.00000	NA	0.00000	NA
1403	4403	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	616	0.00000	NA
1403	4403	1503	0602	0.00000	NA	0.00130	152	0.00000	NA	0.00000	NA
1403	5401	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	747	0.00000	NA
1404	5101g	1101	0301g	0.00006	1121	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	1501g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	397	0.00000	NA
1502g	1501g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	216	0.00000	NA
1502g	1505	1104	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	725	0.00000	NA
1502g	1801g	0301	0501	0.00000	NA	0.00011	887	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	1801g	0403	0302	0.00006	903	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	1801g	0806	0402	0.00000	NA	0.00011	912	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	1801g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	491	0.00000	NA
1502g	2705g	0701	0201g	0.00006	1280	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	2705g	0801	0402	0.00006	1270	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	2705g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	576	0.00000	NA
1502g	2707	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	671	0.00000	NA
1502g	2707	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	459	0.00000	NA
1502g	2707	1101	0301g	0.00013	623	0.00000	NA	0.00044	635	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1502g	2707	1104	0301g	0.00019	498	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	2707	1303	0301g	0.00006	1120	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	2710	1501	0602	0.00006	935	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	3501g	0101	0501	0.00006	943	0.00000	NA	0.00044	549	0.00000	NA
1502g	3501g	1101	0301g	0.00013	615	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	3501g	1201g	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	460	0.00000	NA
1502g	3501g	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	412
1502g	3915	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	652	0.00000	NA
1502g	4001g	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00144	121	0.00000	NA
1502g	4001g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00372	40	0.00000	NA
1502g	4001g	1403	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	380	0.00000	NA
1502g	4001g	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	605	0.00000	NA
1502g	4001g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	226	0.00000	NA
1502g	4002g	0301	0501	0.00000	NA	0.00011	896	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	4002g	0401	0301g	0.00044	293	0.00044	452	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	4002g	0401	0302	0.00006	1307	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	4002g	0405	0503	0.00000	NA	0.00044	682	0.00133	158	0.00000	NA
1502g	4002g	0701	0201g	0.00006	864	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	4002g	0801	0402	0.00013	620	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	4002g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	205
1502g	4002g	0806	0402	0.00000	NA	0.00011	870	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	4002g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00078	310	0.00000	NA
1502g	4002g	1401g	0503	0.00006	1336	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	4002g	1404	0503	0.00013	643	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	4002g	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	643	0.00000	NA
1502g	4002g	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	701
1502g	4002g	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	682	0.00000	NA
1502g	4002g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00178	101	0.00000	NA
1502g	4002g	1502	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00340	48	0.00000	NA
1502g	4002g	1502	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	256	0.00000	NA
1502g	4006	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	376	0.00000	NA
1502g	4006	0405	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	431	0.00000	NA
1502g	4006	0405	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	818	0.00000	NA
1502g	4006	0701	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	763	0.00000	NA
1502g	4006	0803	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	200	0.00000	NA
1502g	4006	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	139	0.00000	NA
1502g	4006	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	220	0.00000	NA
1502g	4006	1103	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	648
1502g	4006	1104	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	277	0.00047	827
1502g	4006	1302	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	405
1502g	4006	1404	0503	0.00006	1245	0.00000	NA	0.00311	55	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1502g	4006	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00578	25	0.00047	589
1502g	4006	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	645	0.00000	NA
1502g	4006	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00178	107	0.00000	NA
1502g	4006	1601	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	758
1502g	4006	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	202	0.00000	NA
1502g	4403	0103	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	837
1502g	4601	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	423	0.00000	NA
1502g	4801g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	680	0.00000	NA
1502g	5001	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	626	0.00000	NA
1502g	5101g	0101	0501	0.00165	108	0.00086	310	0.00140	126	0.00047	373
1502g	5101g	0103	0301g	0.00005	1394	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	5101g	0103	0501	0.00007	830	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	5101g	0301	0201g	0.00047	279	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00091	322
1502g	5101g	0401	0301g	0.00007	826	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	5101g	0401	0302	0.00058	231	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	5101g	0402	0302	0.00024	445	0.00000	NA	0.00089	214	0.00138	164
1502g	5101g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00088	297	0.00000	NA
1502g	5101g	0404	0302	0.00217	73	0.00131	162	0.00000	NA	0.00183	120
1502g	5101g	0405	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	524
1502g	5101g	0406	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00052	332	0.00000	NA
1502g	5101g	0407	0301g	0.00094	174	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	636
1502g	5101g	0407	0302	0.00000	NA	0.00044	586	0.00000	NA	0.00048	370
1502g	5101g	0408	0301g	0.00035	347	0.00044	832	0.00044	523	0.00047	660
1502g	5101g	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00126	172
1502g	5101g	0411	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00419	34
1502g	5101g	0701	0201g	0.00076	197	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00153	124
1502g	5101g	0701	0303	0.00026	411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	5101g	0801	0402	0.00043	307	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	583
1502g	5101g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00107	179
1502g	5101g	0803	0301g	0.00006	1376	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	5101g	0806	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	380
1502g	5101g	0901	0303	0.00083	186	0.00044	797	0.00126	177	0.00093	216
1502g	5101g	1101	0301g	0.00254	61	0.00001	925	0.00177	111	0.00270	64
1502g	5101g	1103	0301g	0.00006	1155	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	5101g	1104	0301g	0.00016	554	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	5101g	1201g	0301g	0.00041	317	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	5101g	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00001	916	0.00000	NA
1502g	5101g	1301	0603	0.00098	170	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00185	119
1502g	5101g	1302	0604	0.00000	NA	0.00044	725	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	5101g	1305	0301g	0.00006	1349	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	5101g	1401g	0503	0.00046	284	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1502g	5101g	1402	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	409
1502g	5101g	1405	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00037	829	0.00000	NA
1502g	5101g	1412	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	630	0.00000	NA
1502g	5101g	1501	0502	0.00013	637	0.00044	643	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	5101g	1501	0602	0.00281	52	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00095	194
1502g	5101g	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	356	0.00000	NA
1502g	5101g	1601	0502	0.00018	525	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	388
1502g	5101g	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	448
1502g	5101g	1602	0502	0.00006	1260	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	5102	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	749	0.00000	NA
1502g	5102	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	247	0.00000	NA
1502g	5102	1202	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	278	0.00000	NA
1502g	5102	1401g	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	150	0.00000	NA
1502g	5102	1601	0502	0.00006	1054	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1502g	5106	1301	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	677	0.00000	NA
1502g	5201g	0411	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	451
1502g	5201g	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	150
1502g	5401	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	614	0.00000	NA
1502g	5502	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	795	0.00000	NA
1503	5101g	1501	0602	0.00006	1097	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1504	3508	1103	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	671
1504	5101g	0301	0201g	0.00006	1118	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1504	5101g	0407	0301g	0.00006	1035	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1504	5101g	1101	0301g	0.00020	487	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1504	5101g	1104	0301g	0.00012	696	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1504	5201g	1501	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	593	0.00000	NA
1505	0702g	0102	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	694
1505	0702g	0406	0402	0.00000	NA	0.00044	798	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0702g	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	606
1505	0702g	0701	0201g	0.00000	NA	0.00126	183	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0702g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	426
1505	0702g	0804	0301g	0.00000	NA	0.00009	920	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0702g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00087	270	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0702g	1001	0501	0.00019	500	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0702g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00086	309	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0702g	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	828	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0702g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00044	504	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0702g	1302	0501	0.00000	NA	0.00044	804	0.00000	NA	0.00047	562
1505	0702g	1302	0502	0.00000	NA	0.00087	254	0.00000	NA	0.00093	234
1505	0702g	1302	0609	0.00000	NA	0.00087	233	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0702g	1503	0501	0.00000	NA	0.00044	509	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1505	0702g	1503	0602	0.00000	NA	0.00344	53	0.00000	NA	0.00047	741
1505	0705g	0301	0201g	0.00013	660	0.00000	NA	0.00046	350	0.00000	NA
1505	0705g	0402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	817
1505	0705g	0405	0302	0.00032	369	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	238
1505	0705g	0701	0201g	0.00006	1232	0.00005	921	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0705g	0803	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00267	62	0.00000	NA
1505	0705g	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	296	0.00000	NA
1505	0705g	1001	0501	0.00057	235	0.00000	NA	0.00754	17	0.00140	135
1505	0705g	1101	0301g	0.00013	639	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0705g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00044	560	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0705g	1104	0301g	0.00006	857	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0705g	1104	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	932
1505	0705g	1106	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00034	831	0.00000	NA
1505	0705g	1302	0604	0.00019	505	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	386
1505	0705g	1303	0301g	0.00013	619	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0705g	1401g	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	826
1505	0705g	1401g	0503	0.00019	512	0.00044	572	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0705g	1501	0502	0.00006	1141	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	0705g	1501	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	869
1505	0705g	1502	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00055	325	0.00000	NA
1505	0705g	1503	0602	0.00000	NA	0.00125	184	0.00000	NA	0.00047	416
1505	0705g	1601	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	501	0.00000	NA
1505	0705g	1602	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	399	0.00000	NA
1505	1402	0102	0501	0.00006	974	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	812
1505	1501g	1104	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	898
1505	1501g	1501	0604	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	905
1505	2702	1401g	0503	0.00006	1151	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	3901g	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	748	0.00000	NA
1505	4012	0301	0201g	0.00000	NA	0.00044	571	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	4012	1001	0501	0.00000	NA	0.00044	606	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	4012	1301	0501	0.00000	NA	0.00044	672	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	4501g	0102	0501	0.00000	NA	0.00044	677	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	5001	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00044	614	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	5703	0701	0201g	0.00000	NA	0.00059	346	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	5703	1302	0609	0.00000	NA	0.00028	855	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	7301	0405	0201g	0.00013	627	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	7301	0405	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	687	0.00000	NA
1505	7301	1501	0502	0.00006	1107	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1505	7301	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	766
1505	8101g	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	714	0.00000	NA
1505	8101g	1303	0301g	0.00000	NA	0.00044	642	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1506	5101g	1101	0301g	0.00013	621	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1508	5101g	1419	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	606	0.00000	NA
1509	3701	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	710
1509	5101g	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	255
1509	5101g	0411	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	400
1509	5101g	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	392
1509	5101g	1402	0304	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	568
1509	5101g	1406	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	209
1509	5101g	1602	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	537
1511	2705g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	521	0.00000	NA
1511	2705g	0401	0302	0.00006	1275	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1519	5101g	1302	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	726
1520	3508	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	482
1601	0702g	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	492	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	1302	1102	0301g	0.00000	NA	0.00044	600	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	1503g	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	664	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	1503g	1301	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	498
1601	1503g	1302	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	682
1601	1510	1101	0301g	0.00006	906	0.00044	778	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	1516	0102	0501	0.00000	NA	0.00335	56	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	1516	0701	0302	0.00000	NA	0.00044	530	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	1516	1102	0301g	0.00000	NA	0.00057	351	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	1516	1301	0603	0.00000	NA	0.00044	575	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	1517	1302	0609	0.00000	NA	0.00044	631	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	1801g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	757
1601	3501g	0102	0501	0.00000	NA	0.00078	321	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	3501g	0103	0501	0.00006	1283	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	3501g	0302	0402	0.00000	NA	0.00172	120	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	3501g	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00061	338
1601	3501g	0804	0301g	0.00000	NA	0.00174	117	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	3501g	0806	0602	0.00000	NA	0.00044	517	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	3501g	1101	0602	0.00000	NA	0.00048	375	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	3501g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00031	853	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	3501g	1301	0603	0.00000	NA	0.00044	455	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	3501g	1302	0604	0.00000	NA	0.00044	741	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	3501g	1302	0609	0.00000	NA	0.00103	205	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	3501g	1303	0201g	0.00000	NA	0.00044	729	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	3501g	1303	0301g	0.00000	NA	0.00044	465	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	3909	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	516
1601	4002g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	703	0.00000	NA
1601	4202	0403	0301g	0.00000	NA	0.00044	787	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1601	4402g	0102	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	512
1601	4402g	0404	0302	0.00000	1476	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4402g	1101	0301g	0.00006	1350	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4402g	1501	0602	0.00006	1217	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	0101	0501	0.00093	175	0.00044	592	0.00000	NA	0.00240	69
1601	4403	0103	0301g	0.00006	1252	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	0103	0501	0.00030	389	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	0301	0201g	0.00019	491	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00049	358
1601	4403	0401	0301g	0.00043	303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	0401	0302	0.00023	450	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	0402	0302	0.00005	1382	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	0403	0304	0.00012	702	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	0404	0302	0.00047	277	0.00044	526	0.00000	NA	0.00189	99
1601	4403	0405	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00049	357
1601	4403	0407	0301g	0.00004	1417	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	784
1601	4403	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00032	856
1601	4403	0408	0301g	0.00000	NA	0.00044	757	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	0701	0201g	0.02656	5	0.00699	16	0.00000	NA	0.02304	3
1601	4403	0701	0301g	0.00012	694	0.00000	NA	0.00044	612	0.00000	NA
1601	4403	0801	0402	0.00025	434	0.00044	556	0.00000	NA	0.00047	806
1601	4403	1001	0501	0.00013	616	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	1101	0301g	0.00039	328	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	1103	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	732
1601	4403	1201g	0301g	0.00011	720	0.00044	657	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	1301	0603	0.00048	276	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00048	363
1601	4403	1302	0604	0.00038	332	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	1401g	0503	0.00044	296	0.00044	484	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	1501	0601	0.00006	1267	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	1501	0602	0.00129	133	0.00087	227	0.00000	NA	0.00284	53
1601	4403	1501	0603	0.00010	745	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4403	1504	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	561
1601	4404	0701	0201g	0.00006	1173	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4404	1101	0301g	0.00043	301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	601
1601	4404	1303	0301g	0.00006	871	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4404	1401g	0503	0.00007	791	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	0102	0501	0.00000	NA	0.00483	34	0.00000	NA	0.00093	296
1601	4501g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00191	102	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	0302	0402	0.00000	NA	0.00252	77	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	0401	0301g	0.00000	NA	0.00046	386	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	0401	0302	0.00000	NA	0.00131	153	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	0701	0201g	0.00000	NA	0.00384	47	0.00000	NA	0.00093	284

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1601	4501g	0701	0303	0.00000	NA	0.00065	335	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	0806	0301g	0.00000	NA	0.00044	529	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	0901	0201g	0.00006	1138	0.00270	71	0.00000	NA	0.00047	617
1601	4501g	1001	0501	0.00006	1147	0.00174	119	0.00000	NA	0.00233	76
1601	4501g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00106	201	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	1101	0502	0.00013	630	0.00096	212	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	1101	0602	0.00000	NA	0.00059	348	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00136	142	0.00000	NA	0.00047	540
1601	4501g	1104	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	729	0.00000	NA
1601	4501g	1201g	0301g	0.00006	931	0.00172	121	0.00000	NA	0.00140	143
1601	4501g	1301	0603	0.00000	NA	0.00154	126	0.00000	NA	0.00047	785
1601	4501g	1302	0501	0.00000	NA	0.00087	267	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	1302	0604	0.00000	NA	0.00065	334	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	1302	0609	0.00000	NA	0.00103	204	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	1303	0201g	0.00000	NA	0.00044	821	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	1401g	0602	0.00000	NA	0.00044	522	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	4501g	1402	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	788	0.00000	NA
1601	4501g	1503	0602	0.00000	NA	0.00549	28	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5101g	0101	0501	0.00005	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	779
1601	5101g	0301	0201g	0.00008	777	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	303
1601	5101g	0302	0402	0.00000	NA	0.00116	191	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5101g	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	681
1601	5101g	0411	0302	0.00000	NA	0.00044	414	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5101g	0701	0201g	0.00046	280	0.00145	135	0.00000	NA	0.00326	49
1601	5101g	0701	0302	0.00000	NA	0.00087	306	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5101g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00087	259	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5101g	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	656	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5101g	1102	0301g	0.00013	609	0.00198	99	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5101g	1104	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	470
1601	5101g	1301	0604	0.00000	NA	0.00044	825	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5101g	1302	0501	0.00000	NA	0.00044	434	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5101g	1302	0609	0.00006	1278	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5101g	1303	0301g	0.00000	NA	0.00402	42	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5101g	1401g	0503	0.00000	NA	0.00041	837	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5101g	1501	0602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	683
1601	5101g	1503	0201g	0.00000	NA	0.00031	852	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5101g	1503	0602	0.00000	NA	0.00111	198	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5102	1304	0301g	0.00000	NA	0.00044	754	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5201g	0301	0201g	0.00000	NA	0.00044	676	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5201g	0302	0402	0.00006	1000	0.00129	180	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5201g	0804	0301g	0.00000	NA	0.00087	278	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1601	5201g	0806	0602	0.00000	NA	0.00044	515	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5201g	0901	0201g	0.00000	NA	0.00044	573	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5201g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00052	359	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5201g	1301	0501	0.00000	NA	0.00087	268	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5201g	1301	0603	0.00000	NA	0.00078	320	0.00000	NA	0.00047	511
1601	5201g	1303	0201g	0.00000	NA	0.00045	397	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5201g	1303	0301g	0.00013	610	0.00261	72	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5201g	1303	0402	0.00000	NA	0.00044	639	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5201g	1304	0301g	0.00000	NA	0.00044	830	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5201g	1503	0602	0.00000	NA	0.00044	547	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5301	0701	0303	0.00006	1011	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5301	1101	0602	0.00000	NA	0.00048	373	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	5301	1301	0609	0.00000	NA	0.00044	516	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	7801	0102	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	651
1601	7801	0301	0201g	0.00000	NA	0.00087	249	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	7801	0701	0201g	0.00000	NA	0.00458	37	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	7801	0804	0502	0.00000	NA	0.00044	507	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	7801	0901	0201g	0.00000	NA	0.00044	752	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	7801	1101	0301g	0.00000	NA	0.00087	304	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	7801	1301	0301g	0.00000	NA	0.00044	576	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	7801	1301	0603	0.00000	NA	0.00174	112	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	7801	1302	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	379
1601	7801	1302	0609	0.00000	NA	0.00108	199	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	7801	1401g	0503	0.00000	NA	0.00044	755	0.00000	NA	0.00000	NA
1601	7801	1601	0502	0.00000	NA	0.00044	570	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	1518	0403	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	268	0.00000	NA
1602	3501g	0101	0501	0.00006	1131	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	4006	1201g	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	457	0.00000	NA
1602	4101	1302	0604	0.00000	NA	0.00044	717	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	4101	1501	0602	0.00006	1086	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	4403	0402	0302	0.00013	645	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	229
1602	4403	0701	0201g	0.00019	503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	4403	1501	0602	0.00006	1198	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5101g	0101	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	275	0.00000	NA
1602	5101g	0401	0301g	0.00013	599	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5101g	0402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	673	0.00000	NA
1602	5101g	0403	0305	0.00006	1171	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5101g	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	638
1602	5101g	0407	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	451	0.00000	NA
1602	5101g	0701	0201g	0.00013	682	0.00000	NA	0.00044	461	0.00000	NA
1602	5101g	0701	0303	0.00006	1216	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	700

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1602	5101g	0801	0402	0.00012	693	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5101g	0901	0303	0.00025	439	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5101g	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	204	0.00000	NA
1602	5101g	1101	0301g	0.00003	1427	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5101g	1101	0302	0.00006	1166	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5101g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	220
1602	5101g	1104	0301g	0.00006	846	0.00000	NA	0.00044	783	0.00000	NA
1602	5101g	1301	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	456	0.00047	658
1602	5101g	1302	0604	0.00025	419	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5101g	1302	0609	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	507	0.00000	NA
1602	5101g	1401g	0503	0.00018	519	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5101g	1404	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	140	0.00000	NA
1602	5101g	1501	0602	0.00011	718	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5101g	1602	0502	0.00006	1167	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5106	1502	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	567	0.00000	NA
1602	5108	0301	0201g	0.00007	834	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5108	0403	0305	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	947
1602	5108	0701	0201g	0.00014	581	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5108	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	884	0.00000	NA
1602	5108	0901	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	844	0.00000	NA
1602	5108	1101	0301g	0.00005	1383	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5108	1301	0603	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	631
1602	5108	1302	0604	0.00006	1363	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5108	1302	0609	0.00006	1205	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5108	1303	0301g	0.00006	1165	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	219
1602	5108	1501	0602	0.00013	597	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1602	5108	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	934
1602	5301	0803	0601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	910	0.00000	NA
1602	5301	0901	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00011	840	0.00000	NA
1602	5601	0403	0305	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	929
1602	5601	1602	0502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00012	943
1604	1302	1001	0501	0.00006	1088	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1604	3501g	1103	0301g	0.00006	941	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1604	3501g	1302	0604	0.00006	1068	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1604	4101	0102	0501	0.00000	NA	0.00044	829	0.00000	NA	0.00000	NA
1604	4402g	0402	0302	0.00025	422	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1604	4402g	1104	0301g	0.00038	334	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	1501g	1302	0604	0.00006	1081	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	1503g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00044	674	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	3501g	1401g	0503	0.00000	NA	0.00044	543	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	3502	1104	0301g	0.00006	946	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1701g	4101	0301	0201g	0.00045	288	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00136	167
1701g	4101	0401	0302	0.00006	1375	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4101	0402	0302	0.00013	608	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	430
1701g	4101	0403	0402	0.00000	NA	0.00011	894	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4101	0404	0302	0.00000	1477	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4101	0404	0402	0.00025	423	0.00011	876	0.00000	NA	0.00047	783
1701g	4101	0405	0201g	0.00025	426	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4101	0701	0201g	0.00070	206	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00130	170
1701g	4101	0701	0302	0.00006	1257	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4101	0701	0303	0.00057	234	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	352
1701g	4101	0804	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	687
1701g	4101	0804	0402	0.00006	1137	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	312
1701g	4101	0901	0303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	533
1701g	4101	1001	0501	0.00007	799	0.00044	662	0.00044	396	0.00000	NA
1701g	4101	1101	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	788
1701g	4101	1102	0301g	0.00006	999	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4101	1302	0604	0.00006	1345	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00149	125
1701g	4101	1303	0301g	0.00018	524	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4101	1401g	0503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	797	0.00000	NA
1701g	4102	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	369
1701g	4102	0401	0301g	0.00006	1328	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4102	0403	0305	0.00004	1420	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4102	0404	0302	0.00007	821	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4102	0404	0402	0.00006	1312	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4102	0701	0201g	0.00015	561	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	494
1701g	4102	0701	0303	0.00006	902	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4102	0802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	805
1701g	4102	0804	0301g	0.00000	NA	0.00044	443	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4102	0901	0201g	0.00000	NA	0.00087	279	0.00000	NA	0.00047	588
1701g	4102	1101	0301g	0.00020	477	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4102	1101	0502	0.00000	NA	0.00044	646	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4102	1102	0301g	0.00000	NA	0.00121	187	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4102	1104	0301g	0.00039	326	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00046	846
1701g	4102	1201g	0501	0.00000	NA	0.00044	609	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4102	1302	0604	0.00022	457	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4102	1302	0609	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	616
1701g	4102	1303	0201g	0.00000	NA	0.00044	426	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4102	1303	0301g	0.00203	80	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00233	78
1701g	4102	1501	0602	0.00014	573	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4102	1503	0602	0.00000	NA	0.00131	156	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4102	1602	0502	0.00006	1335	0.00053	354	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1701g	4103	1302	0609	0.00000	NA	0.00044	581	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4103	1602	0502	0.00000	NA	0.00044	532	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	0102	0501	0.00000	NA	0.00222	85	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	0301	0201g	0.00000	NA	0.00113	194	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	0302	0402	0.00000	NA	0.02616	1	0.00000	NA	0.00372	37
1701g	4201	0402	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	752
1701g	4201	0403	0302	0.00000	NA	0.00044	651	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	0405	0302	0.00000	NA	0.00130	177	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	0701	0201g	0.00000	NA	0.00250	79	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	0804	0301g	0.00000	NA	0.00593	23	0.00000	NA	0.00047	828
1701g	4201	1001	0501	0.00000	NA	0.00047	377	0.00000	NA	0.00047	378
1701g	4201	1101	0301g	0.00000	NA	0.00103	203	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	405	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	1102	0301g	0.00000	NA	0.00200	98	0.00000	NA	0.00093	225
1701g	4201	1104	0502	0.00000	NA	0.00044	615	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	1301	0608	0.00000	NA	0.00115	193	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	1302	0501	0.00000	NA	0.00005	922	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	1302	0604	0.00000	NA	0.00087	277	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	1302	0609	0.00000	NA	0.00279	70	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	1303	0301g	0.00000	NA	0.00131	170	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	1401g	0501	0.00000	NA	0.00044	579	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	1401g	0503	0.00000	NA	0.00051	361	0.00000	NA	0.00047	800
1701g	4201	1401g	0602	0.00000	NA	0.00044	630	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4201	1503	0602	0.00000	NA	0.00193	100	0.00000	NA	0.00093	268
1701g	4202	0102	0501	0.00000	NA	0.00044	742	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4202	0301	0201g	0.00000	NA	0.00044	722	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4202	0302	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	796
1701g	4202	0406	0201g	0.00000	NA	0.00044	678	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4202	0804	0301g	0.00006	1106	0.00103	202	0.00000	NA	0.00047	818
1701g	4202	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	495	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4202	1201g	0501	0.00000	NA	0.00120	189	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4202	1301	0603	0.00000	NA	0.00044	707	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4202	1303	0301g	0.00006	897	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	300
1701g	4202	1305	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	750
1701g	4202	1501	0603	0.00000	NA	0.00044	785	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4202	1503	0602	0.00000	NA	0.00011	879	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4202	1602	0502	0.00000	NA	0.00071	329	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4402g	0403	0402	0.00000	NA	0.00011	888	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4402g	0404	0402	0.00000	NA	0.00011	871	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4403	0101	0501	0.00000	NA	0.00044	584	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4403	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	641	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1701g	4403	1101	0602	0.00000	NA	0.00038	842	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	4403	1503	0602	0.00000	NA	0.00049	371	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	5101g	0701	0201g	0.00000	NA	0.00044	667	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	5101g	1303	0201g	0.00000	NA	0.00087	235	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	5301	0301	0201g	0.00000	NA	0.00044	410	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	5301	1101	0602	0.00000	NA	0.00044	819	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	5703	0701	0201g	0.00000	NA	0.00044	817	0.00000	NA	0.00000	NA
1701g	5801g	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	625	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	0702g	1302	0604	0.00000	NA	0.00044	698	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	0702g	1302	0609	0.00000	NA	0.00044	779	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	1402	0701	0201g	0.00000	NA	0.00044	590	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	1516	1001	0501	0.00000	NA	0.00044	424	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	1801g	1001	0501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	553
1801g	4403	1110	0602	0.00000	NA	0.00044	411	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	4403	1201g	0501	0.00000	NA	0.00044	500	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5101g	0404	0302	0.00000	NA	0.00044	827	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5109	0302	0402	0.00000	NA	0.00022	860	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5109	1302	0604	0.00000	NA	0.00022	857	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5301	1303	0201g	0.00000	NA	0.00044	715	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5702	0301	0201g	0.00000	NA	0.00087	303	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5702	0302	0402	0.00000	NA	0.00022	861	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5702	0701	0201g	0.00000	NA	0.00087	261	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5702	1302	0604	0.00000	NA	0.00022	858	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5702	1503	0603	0.00006	895	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5702	1602	0502	0.00000	NA	0.00087	263	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5703	0301	0201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	520
1801g	5703	0404	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	291
1801g	5703	0701	0201g	0.00000	NA	0.00089	216	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5703	0804	0301g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	493
1801g	5703	1101	0501	0.00000	NA	0.00131	151	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5703	1301	0501	0.00006	951	0.00477	35	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5703	1303	0201g	0.00000	NA	0.00044	436	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5703	1501	0602	0.00000	NA	0.00044	690	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5703	1503	0602	0.00000	NA	0.00044	591	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5703	1602	0301g	0.00000	NA	0.00044	670	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5703	1602	0502	0.00000	NA	0.00131	171	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5704	0701	0201g	0.00000	NA	0.00087	280	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5704	0804	0301g	0.00000	NA	0.00044	803	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5704	1503	0201g	0.00000	NA	0.00044	814	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	5704	1602	0502	0.00000	NA	0.00044	618	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	8101g	0302	0402	0.00000	NA	0.00044	740	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

C	B	DRB1	DQB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1801g	8101g	0804	0301g	0.00000	NA	0.00044	464	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	8101g	0804	0402	0.00000	NA	0.00174	113	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	8101g	0804	0602	0.00000	NA	0.00044	711	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	8101g	1101	0301g	0.00000	NA	0.00150	130	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	8101g	1101	0602	0.00000	NA	0.00217	91	0.00000	NA	0.00093	259
1801g	8101g	1102	0301g	0.00000	NA	0.00087	301	0.00000	NA	0.00093	223
1801g	8101g	1301	0608	0.00000	NA	0.00068	331	0.00000	NA	0.00047	578
1801g	8101g	1302	0501	0.00000	NA	0.00044	601	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	8101g	1503	0602	0.00000	NA	0.00174	106	0.00000	NA	0.00000	NA
1803	4403	1304	0301g	0.00000	NA	0.00011	913	0.00000	NA	0.00000	NA
1803	4403	1401g	0602	0.00000	NA	0.00011	880	0.00000	NA	0.00000	NA
1803	5702	1304	0301g	0.00000	NA	0.00011	873	0.00000	NA	0.00000	NA
1803	5702	1401g	0602	0.00000	NA	0.00011	883	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.